

This Page Is Inserted by IFW Operations
and is not a part of the Official Record

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images may include (but are not limited to):

- BLACK BORDERS
- TEXT CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
- FADED TEXT
- ILLEGIBLE TEXT
- SKEWED/SLANTED IMAGES
- COLORED PHOTOS
- BLACK OR VERY BLACK AND WHITE DARK PHOTOS
- GRAY SCALE DOCUMENTS

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

**As rescanning documents *will not* correct images,
please do not report the images to the
Image Problem Mailbox.**

PATENT ABSTRACTS OF JAPAN

(11)Publication number : 2004-051557

(43)Date of publication of application : 19.02.2004

(51)Int.Cl.

A61K 39/395
A61K 45/00
A61P 35/00
A61P 43/00
C12N 15/09
C12Q 1/02
C12Q 1/68
G01N 33/15
G01N 33/50

(21)Application number : 2002-211760

(71)Applicant : CHUGAI PHARMACEUT CO LTD
JAPANESE FOUNDATION FOR CANCER
RESEARCH

(22)Date of filing : 19.07.2002

(72)Inventor : KARL VIRTANEN
MICHAEL H JONES
NOMURA HITOSHI
ISHIKAWA YUICHI
NAKAGAWA TAKESHI

(54) ANTI CANCER AGENT CONTAINING ANTI-Wnt5A ANTIBODY OR ANTI-Frizzled 5 ANTIBODY

(57)Abstract:

PROBLEM TO BE SOLVED: To provide an anticancer agent containing anti-Wnt5A antibody or anti-Frizzled 5 antibody.

SOLUTION: An RNA is prepared from 38 example lung cancer-derived cell lines, 3 example normal fibroblast lines, 43 example lung cancer clinical specimens and 6 example normal lung tissues, and after fluorescent labeling of the RNA, a hybridization is carried out for a slide immobilized with 7685 kinds of gene fragments. As a result of carrying out an ordinary hierarchical clustering, all of the cell lines and the clinical specimens are separated to respectively different clusters. Regarding that a gene expression profile reflecting respective disease types may be obtained by excluding genes that are highly expressed or decline in expression commonly in the cultured cell lines or the clinical specimens respectively, a filtering method enabling the above is newly devised and carried out. As a result, Wnt5A exerting activity with Frizzled 5 as a receptor is screened as being increasedly expressed specifically to flat epithelial lung cancer.

LEGAL STATUS

[Date of request for examination]

[Date of sending the examiner's decision of rejection]

[Kind of final disposal of application other than the examiner's decision of rejection or application converted registration]

[Date of final disposal for application]

[Patent number]

[Date of registration]

[Number of appeal against examiner's decision of rejection]

[Date of requesting appeal against examiner's decision of rejection]

[Date of extinction of right]

Copyright (C); 1998,2003 Japan Patent Office

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公開特許公報(A)

(11) 特許出願公開番号

特開2004-51557

(P2004-51557A)

(43) 公開日 平成16年2月19日(2004. 2. 19)

(51) Int. Cl. ⁷	F I	テーマコード (参考)
A61K 39/395	A61K 39/395 E	2G045
A61K 45/00	A61K 39/395 T	4B024
A61P 35/00	A61K 45/00	4B063
A61P 43/00	A61P 35/00	4C084
C12N 15/09	A61P 43/00 105	4C085
審査請求 未請求 請求項の数 12 O L (全 34 頁) 最終頁に続く		

(21) 出願番号	特願2002-211760 (P2002-211760)	(71) 出願人	000003311
(22) 出願日	平成14年7月19日 (2002. 7. 19)		中外製薬株式会社
			東京都北区浮間5丁目5番1号
		(71) 出願人	502262584
			財団法人癌研究会
			東京都豊島区上池袋1-37-1
		(74) 代理人	100102978
			弁理士 清水 初志
		(74) 代理人	100108774
			弁理士 橋本 一憲
		(72) 発明者	カール ヴァータネン
			東京都豊島区高田3-41-8 高田研究 所内
最終頁に続く			

(54) 【発明の名称】 抗Wnt5A抗体または抗Frizzled5抗体を含有する抗癌剤

(57) 【要約】

【課題】 抗Wnt5A抗体または抗Frizzled5抗体を含有する抗癌剤を提供することを課題とする。

【解決手段】 88例の肺癌由来細胞株および8例の正常繊維芽細胞株と43例の肺癌臨床検体および6例の正常肺組織よりRNAを調製、蛍光標識後7685種の遺伝子断片を固定化したスライドに対してハイブリゲイゼーションを行った。通常行われる階層的クラスタリングを実施した結果、全ての細胞株と臨床検体とはそれぞれ異なるクラスターに分離された。培養細胞株あるいは臨床検体でそれぞれ共通して高発現あるいは発現低下している遺伝子を解析から除外する事により、各病型を反映した遺伝子発現プロファイルが得られるものと考え、これを可能とするフィルタリング法を新たに考え実施した。その結果、平上皮肺癌に特異的に発現上昇しているものとして、Frizzled5を受容体として作用を発揮するWnt5Aが選別された。

【選択図】 なし

【特許請求の範囲】

【請求項1】

抗Wnt5A抗体または抗Frlizzled5抗体を有効成分として含有する抗癌剤。

【請求項2】

癌が肺癌である、請求項1に記載の抗癌剤。

【請求項3】

肺癌が 平上皮肺癌である、請求項2に記載の抗癌剤。

【請求項4】

抗Wnt5A抗体または抗Frlizzled5抗体を投与することを特徴とする、癌の治療方法。

【請求項5】

被験試料における、抗癌活性の有無を評価する方法であって、

(a) Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質に被験試料を接触させる工程、

(b) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質の活性を測定する工程、

を含み、上記Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質の活性が、被験試料を接触させないときに比べ減少する場合に、被験試料が抗癌活性を有すると判定される方法。

【請求項6】

被験試料における、抗癌活性の有無を評価する方法であって、

(a) Wnt5A遺伝子またはFrlizzled5遺伝子のプロモーター領域の下流にレポーター遺伝子が機能的に結合したDNAを有する細胞または細胞抽出液を提供する工程

(b) 該細胞または該細胞抽出液に被験試料を接触させる工程、

(c) 該細胞または該細胞抽出液における該レポーター遺伝子の発現レベルを測定する工程、

を含み、上記レポーター遺伝子の発現レベルが、被験試料を接触させないときに比べ減少する場合に、被験試料が抗癌活性を有すると判定される方法。

【請求項7】

以下の(a)および(b)の工程を含む、抗癌活性を有する試料のスクリーニング方法。

(a) 請求項5または6に記載の評価方法により、複数の被験試料における、抗癌活性の有無を評価する工程

(b) 複数の被験試料から、抗癌活性を有すると評価された試料を選択する工程

【請求項8】

以下の(a)～(e)の工程を含む、抗癌活性を有する試料のスクリーニング方法。

(a) Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質に複数の被験試料を接触させる工程

(b) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と被験試料との結合を検出する工程

(c) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料を選択する工程

(d) 請求項5または6に記載の評価方法により、該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料について、抗癌活性の有無を評価する工程

(e) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料から、抗癌活性を有すると評価された試料を選択する工程

【請求項9】

以下の(a)～(e)の工程を含む、抗癌活性を有する試料のスクリーニング方法。

(a) Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質に複数の被験試料を接触させる工程

(b) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と被験試料との結合を検出する工程

(c) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料を選択する工程

(d) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料を癌細胞に接触させる工程

(e) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料から、抗癌活性を有すると評価された試料を選択する工程

【請求項10】

請求項7～9のいずれかに記載の工程に、さらに抗癌活性を有すると評価された試料と医薬上許容される担体とを混合する工程を含む、抗癌活性を有する医薬組成物の製造方法。

10

【請求項11】

癌が肺癌である、請求項4～10のいずれかに記載の方法。

【請求項12】

肺癌が 平上皮肺癌である、請求項11に記載の方法。

【発明の詳細な説明】

【0001】

【発明の属する技術分野】

本発明は、抗Wnt5A抗体または抗Frlizzled5抗体を含有する抗癌剤に関する

20

【0002】

【従来の技術】

肺癌は全世界的に見て男女を問わず癌による死亡原因の第1位の位置を占めており、その数は増加の一途にある。また日本だけを見ても年間に50,000人の命が肺癌により失われている。肺癌は病理学的にはその形態から小細胞性肺癌(small cell lung carcinoma: SCLC)と非小細胞性肺癌(non-small cell lung carcinoma: NSCLC)に分類され、後者はさらに 平上皮癌(squamous cell carcinoma: SCC)、腺癌(adenocarcinoma: AC)、大細胞性癌(large cell carcinoma: LCC)に分類されている。個々に分類された肺癌は悪性度、治療に対する反応性が異なる事から、正確な病型診断は治療指針を決定するうえで極めて重要である。非小細胞性肺癌の場合は病巣が限局していても明らかな転移を認めない場合には外科的手術による摘除が第1選択肢となるが、種々の状況により手術が困難な場合および術後の維持には化学療法および放射線療法による治療が選択される。化学療法に対する反応性は症例により異なるが一般に、複数の異なる作用機序に基づいた薬剤を組み合わせる事により相乗的な効果を期待しつつ副作用を最小限とする努力が為されている。化学療法を行う場合にしばしば問題となるのが多剤耐性の獲得であり、薬物代謝酵素類の過剰発現や薬剤標的蛋白の変異、薬剤の細胞内取り込みの減少、逆に細胞外排出の増大等の機序の関与が知られている。この様な薬剤耐性と云う新しい機能の獲得には癌細胞のゲノムの不安定性が寄与している事から癌細胞のもつ特権とも云えるものであり、一般に化学療法で一度縮小した腫瘍が再燃する場合の多くに多剤耐性の獲得が付随している。従って新規な作用機序に基づいた治療薬の開発と多剤耐性の克服は癌の化学療法を考えるうえで極めて重要な課題である

30

40

【0003】

従来の化学療法剤の殆どは癌細胞と正常細胞が共通して利用している基本的な経路に帰属するターゲットに対するものであるが故に副作用との分離は困難である。一方でより癌に特異的なターゲットを見出す事を目標とした細胞癌化のメカニズムに関する研究は著しい躍進を遂げ、多くの癌抑制遺伝子が癌において変異をうけて不活性化している事が細胞癌化の主たる原因となっている事が明らかとなってきた。しかし、これらの癌抑制遺伝子産物の機能が明らかになり、その変異が惹き起こす細胞増殖あるいはアポトーシス制御の破

50

経が明らかになるにつれ、これらの癌抑制遺伝子産物が制御する経路は全ての細胞に共通した基本的な経路であり低分子化合物を用いてその破綻を是正する事は一般に困難で、唯一遺伝子治療による失われた癌抑制遺伝子産物の補充以外には副作用を分離した癌に特異的な治療は困難である事が明らかとなってきた。

【0004】

【発明が解決しようとする課題】

本発明は、このような状況に鑑みてなされたものであり、その目的は、癌特異的な遺伝子を見出し、該遺伝子の産物に対する抗体を含有する薬剤を提供することにある。より詳細には、抗Wnt5A抗体または抗Frlzled5抗体を含有する抗癌剤を提供することを目的とする。

10

【0005】

【課題を解決するための手段】

癌細胞における遺伝子発現の異常は広く知られた現象であり、問題となる癌が発生した臓器では発現が認められない遺伝子の異所性発現や胎生期にしか発現が認められない遺伝子の発現が知られている。これらの遺伝子産物のうち細胞表面蛋白質は抗体療法の格好のターゲットとなり得るし、また胎生期の細胞を含めた特殊な細胞集団でのみ機能している細胞周期調節機構やシグナル伝達機構をターゲットとした薬剤を開発する事により副作用との分離が可能になると考えられる。以上の考えに基づいて、本発明者らは新規な肺癌の治療ターゲットを見出すべく、各種病型肺癌の遺伝子発現プロファイル解析を実施した。個々の症例毎に異なる遺伝子発現異常はテーラーメイド療法の対象とはなるが新規医薬品開発の為にターゲットとしては不適である事から、本発明者らは病型特異的な遺伝子発現に

20

【0006】

88例の肺癌由来細胞株および8例の正常繊維芽細胞株と48例の肺癌臨床検体および6例の正常肺組織よりRNAを調製、蛍光標識後7885種の遺伝子断片を固定化したスライドに対してハイブリゲイゼーションを行った。通常行われるhierarchical（階層的）クラスタリングを実施した結果、全ての細胞株と臨床検体とはそれぞれ異なるクラスターに分離された。細胞株のクラスターは培養系に特有の要因により細胞株に共通した遺伝子発現により形成されたものと考えられ、一方臨床検体クラスターでは腫瘍細胞に混在する正常組織の影響を強く受けているものと考えられた。そこで、これら培養細胞株あるいは臨床検体でそれぞれ共通して高発現あるいは発現低下している遺伝子を解析から除外する事により、各病型を反映した遺伝子発現プロファイルが得られるものと考え、これを可能とするフィルタリング法（Binatron 8strin9 search）を新たに考えた。該フィルタリング法により、細胞株あるいは臨床検体に共通して発現進んでいる遺伝子を解析から除外することができ、病型特異的な遺伝子発現プロファイルを得る事ができた。病型特異的に高発現している遺伝子の中には全ての細胞に共通した基本的経路の構成成分は殆ど含まれていなかった。これらの病型特異的な遺伝子には既知の病型特異的なマーカー（例、小細胞性肺癌のneuroendocrineマーカーや平上皮癌のケラチン等）が数多く含まれており、これらを除いた残りの遺伝子から新規医薬品開発の為にターゲット（例えば抗体療法のターゲット）としての可能性が規定されるものを検索した。

30

40

【0007】

その結果、平上皮肺癌に特異的に発現上昇しているものとして、WNT5Aが選別された。WNT5AはWNTファミリーに属する分泌タンパク質でFrlzled5を受容体として作用を発揮する。Frlzled5受容体は7回膜貫通型受容体でN末端に位置するEctodomainに対応するWNT蛋白質が結合する事により細胞質蛋白質であるDishevelledおよびGSK3/APC/Axinを介してβカテニンを安定化する。安定化されたβカテニンは核に移行してTCFと複合体を形成し、種々の細胞増殖やアポトーシスに関連する遺伝子発現を活性化する事により癌、骨代謝、造血幹細胞の増殖分化を含む種々の生物学的現象に関与している事が知られている。Wnt5Aが癌特

50

異的に過剰発現するという知見は、Wnt5AがFrlizzled5を介して細胞を腫化することを示唆するものである。よって、Wnt5AおよびFrlizzled5を標的とした中和抗体は癌の治療に有効に利用可能と考えられる。また、Wnt5AおよびFrlizzled5を用いることで抗癌剤をスクリーニングすることが可能になるものと考えられる。

【0008】

即ち、本発明は、

〔1〕抗Wnt5A抗体または抗Frlizzled5抗体を有効成分として含有する抗癌剤、

〔2〕癌が肺癌である、〔1〕に記載の抗癌剤、

〔3〕肺癌が 平上皮肺癌である、〔2〕に記載の抗癌剤、

〔4〕抗Wnt5A抗体または抗Frlizzled5抗体を投与することの特徴とする、癌の治療方法、

〔5〕被験試料における、抗癌活性の有無を評価する方法であって、

(a) Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質に被験試料を接触させる工程、

(b) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質の活性を測定する工程、

を含み、上記Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質の活性が、被験試料を接触させないときに比べ減少する場合に、被験試料が抗癌活性を有すると判定される方法、

〔6〕被験試料における、抗癌活性の有無を評価する方法であって、

(a) Wnt5A遺伝子またはFrlizzled5遺伝子のプロモーター領域の下流にレポーター遺伝子が機能的に結合したDNAを有する細胞または細胞抽出液を提供する工程

(b) 該細胞または該細胞抽出液に被験試料を接触させる工程、

(c) 該細胞または該細胞抽出液における該レポーター遺伝子の発現レベルを測定する工程、

を含み、上記レポーター遺伝子の発現レベルが、被験試料を接触させないときに比べ減少する場合に、被験試料が抗癌活性を有すると判定される方法、

〔7〕以下の(a)および(b)の工程を含む、抗癌活性を有する試料のスクリーニング方法、

(a) 〔5〕または〔6〕に記載の評価方法により、複数の被験試料における、抗癌活性の有無を評価する工程

(b) 複数の被験試料から、抗癌活性を有すると評価された試料を選択する工程〔8〕以下の(a)～(e)の工程を含む、抗癌活性を有する試料のスクリーニング方法、

(a) Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質に複数の被験試料を接触させる工程

(b) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と被験試料との結合を検出する工程

(c) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料を選択する工程

(d) 〔5〕または〔6〕に記載の評価方法により、該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料について、抗癌活性の有無を評価する工程

(e) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料から、抗癌活性を有すると評価された試料を選択する工程

〔9〕以下の(a)～(e)の工程を含む、抗癌活性を有する試料のスクリーニング方法

(a) Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質に複数の被験試料を接触させる工程

(b) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と被験試料との結合を検出する工程

(c) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料を選択する工程

(d) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料を癌細胞に接触させる工程

(e) 該Wnt5Aタンパク質またはFrlizzled5タンパク質と結合する被験試料から、抗癌活性を有すると評価された試料を選択する工程

〔10〕〔7〕～〔9〕のいずれかに記載の工程に、さらに抗癌活性を有すると評価された試料と医薬上許容される担体とを混合する工程を含む、抗癌活性を有する医薬組成物の製造方法、

〔11〕癌が肺癌である、〔4〕～〔10〕のいずれかに記載の方法、

〔12〕肺癌が 平上皮肺癌である、〔11〕に記載の方法、

を、提供するものである。

【0009】

【発明の実施の形態】

本発明は、抗Wnt5A抗体または抗Frlizzled5抗体を有効成分として含有する抗癌剤を提供する。本発明者は、Wnt5A (wingless-type MMTV integration site family member 5A) が、癌特異的に過剰発現していることを見出した。WNT5AはWNTファミリーに属する分泌タンパク質でFrlizzled5を受容体として作用を発揮することが知られている。WNT蛋白質は、Frlizzled5受容体を介して、種々の細胞増殖やアポトーシスに関連する遺伝子発現を活性化することにより癌、骨代謝、造血幹細胞の増殖分化を含む種々の生物学的現象に関与している事が知られている。Wnt5Aが癌特異的に過剰発現するという知見は、Wnt5AがFrlizzled5を介して細胞を腫化することを示唆するものである。よって、抗Wnt5A抗体または抗Frlizzled5抗体は、有効な抗癌剤になりうる。

【0010】

本発明における癌としては、好ましくは肺癌であり、より好ましくは非小細胞性肺癌であり、さらに好ましくは 平上皮肺癌である。

【0011】

また、本発明における抗体には、モノクローナル抗体（全長モノクローナル抗体を含む）、ポリクローナル抗体、抗体変異体等が含まれる。

【0012】

本発明における「モノクローナル抗体」とは、実質的に均質な抗体の集団、即ち、集団を構成する個々の抗体が、天然において起こり得る少量で存在する変異体を除いては均一である抗体集団から得られた抗体を指す。モノクローナル抗体は高度に特異的であり、単一の抗原部位に対して作用するものである。さらに、異なる抗原決定基（エピトープ）に対する異なる抗体を含む慣用的な（ポリクローナル）抗体調製物と比べて、各モノクローナル抗体は、抗原上の単一の抗原決定基に向けられる。その特異性に加えて、モノクローナル抗体は、他の免疫グロブリンにより汚染されていないハイブリドーマ培養により合成される点で有利である。「モノクローナル」という修飾語は、実質的に均一な抗体の集団より得られた抗体の特性を示唆するものであって、抗体が特定の方法により製造されることを限定するものではない。例えば、本発明において用いられるモノクローナル抗体を、例えば後述するハイブリドーマ法 (Kohler and Milstein, Nature (1975) 258: 495)、または、組換え方法 (米国特許第4, 818, 567号) により製造してもよい。本発明において使用するモノクローナル抗体はまた、フュージ抗体ライブラリーから単離してもよい (Clackson et al., Nature (1991) 352: 624-628; Marks et al., J. Mol. Biol. (1991) 222: 581-597)。本発明におけるモノク

10

20

30

40

50

ローナル抗体には、特に、重鎖及び／または軽鎖の一部が特定の種、または特定の抗体クラス若しくはサブクラス由来であり、鎖の残りの部分が別の種、または別の抗体クラス若しくはサブクラス由来である「キメラ」抗体（免疫グロブリン）、並びに、所望の生物学的活性を有する限り、このような抗体の断片が含まれる（米国特許第4,818,587号；Morrison et al., Proc. Natl. Acad. Sci. U S A 81:6851-6855 (1984)）。

【0018】

本発明において、「抗体変異体」とは、1またはそれ以上のアミノ酸残基が改変された、抗体のアミノ酸配列バリエーションを指す。どのように改変されたアミノ酸バリエーションであれ、元となった抗体と同じ結合特異性を有すれば、本発明における「抗体変異体」に含まれる。このような変異体は、抗体の重鎖若しくは軽鎖の可変ドメインのアミノ酸配列と少なくとも75%、より好ましくは少なくとも80%、さらに好ましくは少なくとも85%、さらにより好ましくは少なくとも90%、そして、最も好ましくは少なくとも95%のアミノ酸配列相同性または類似性を有するアミノ酸配列と100%よりも少ない配列相同性、または類似性を有する。

【0014】

ポリクローナル抗体は好ましくは、関連抗原及びアジュバントの複数の皮下（sc）または腹腔内（ip）注射により非ヒト乳動物で作られる。免疫化される種に対して免疫原性の蛋白質、例えば、キーホールリンペットヘモシアニン、血清アルブミン、仔ウシチログロブリン、または大豆トリファシニンインヒビターに、例えば、マレイミドベンゾイルスルフォスクシンイミドエステル（システイン残基を介した結合）、N-ヒドロキシスクシンイミド（リシン残基を介した）、グルタルアルデヒド、無水コハク酸、塩化チオニル、若しくは $R^1N=C=CR$ （式中、R及び R^1 は異なるアルキル基である）等の二機能性の薬剤若しくは誘導剤を用いて関連抗原を結合させることもできる。

【0015】

例えば、100 μ g若しくは5 μ gの蛋白質若しくはコンジュゲート（それぞれ、ウサギまたはマウスについての量）を8倍量のFreund's完全アジュバントと合わせ、溶液を複数回、皮内注射することにより、動物を抗原、免疫原性コンジュゲートまたは誘導体に対して免疫化する。一ヶ月後、動物をもとのFreund's完全アジュバント中のペプチドまたはコンジュゲートの1/5～1/10量を複数の部位に皮下注射することにより追加免疫する。7～14日後、動物から採血し、血清を抗体力価について分析する。好ましくは、動物の追加免疫の際には、同じ抗原ではあるが異なる蛋白質に、及び／または、異なる交差結合試薬を介して結合されたコンジュゲートを用いる。コンジュゲートはまた、組換え細胞培養蛋白質融合で作成することもできる。また、免疫応答を増幅するため、ミョウバン等の凝集剤が好ましくは用いられる。選択された乳動物抗体は通常、抗原に対して十分に強い結合親和性を有する。抗体の親和性は、飽和結合、酵素結合イムノソルベント検定法（ELISA）、及び競合分析（例えば、放射性免疫分析）により決定することができる。

【0016】

所望のポリクローナル抗体のスクリーニング法としては、Antibodies. A Laboratory Manual (Cold Spring Harbor Laboratory, Harlow and David Lane edit. (1988))に記載されるような慣用の交差結合分析を行うことができる。また、代わりに、例えば、エピトープマッピング（Champe et al., J. Biol. Chem. (1995) 270:1388-1394）を行ってもよい。蛋白質または抗体の効力の測定方法として好ましいのは、抗体結合親和性の定量化を用いた方法であるが、その他の態様では、それに加えて、または結合親和性測定に代えて抗体の1若しくはそれ以上の生物学的特性を評価する方法を含む。このような分析法は特に、抗体の治療的な有効性を示すので有用である。通常、必ずしもではないが、このような分析において改善された特性を示す抗体はまた、結合親和性も増幅されている。

【0017】

モノクローナル抗体は単一の抗原部位を認識する抗体であり、均一な特異性により、一般的に多数の異なる抗原部位を認識する抗体を含むポリクローナル抗体よりも有用である。モノクローナル抗体は、ハイブリドーマ法 (Kohler et al., Nature (1975) 256:495) または、組換えDNA法 (米国特許第4,816,567号) 等により製造することができる。

【0018】

ハイブリドーマ法では、マウス、または、ハムスター若しくはアカゲサル等の他の適当な宿主動物を免疫化に使用した蛋白質に対して特異的に結合する抗体を産生するか、または、産生できるリンパ球を誘導するために上述と同様に免疫化する。また、in vitro においてリンパ球を免疫化することもできる。その後、リンパ球をポリエチレングリコール等の適当な融合剤を用いてミエローマ細胞と融合させハイブリドーマ細胞を形成させる (Godin, Monoclonal Antibodies: Principles and Practice, PP. 590-108, Academic Press, (1986))。製造されたハイブリドーマ細胞を、好ましくは、未融合の親ミエローマ細胞の生育または成長を阻害する1またはそれより多くの物質を含む適当な培養培地に植え、生育する。例えば、もし親ミエローマ細胞がヒポキサンチン グアニン ホスホリボシル トランスフェラーゼ酵素 (HGPRTまたはHPRT) を欠く場合、そのハイブリドーマのための培養培地には、典型的には、HGPRT欠損細胞の生育を阻止する物質ヒポキサンチン、アミノプテリン、及びチミジンが含まれる (HAT培地)。好ましいミエローマ細胞は、効率的に融合し、選択された抗体産生細胞において、安定で高いレベルで抗体を産生し、そして、HAT培地等の培地に対して感受性の細胞である。これらの中で好ましいミエローマ細胞株は、Salk Institute Cell Distribution Center (San Diego, Calif. USA) から入手できるMOPC-21及びMPC-11マウス腫瘍由来の細胞、並びに、African Type Culture Collection (Rockville, Md. USA) から入手できる8P-2、またはX63-A98-658細胞等のマウスミエローマ細胞株である。ヒトミエローマ、及び、マウス-ヒトheteromyloma細胞株も、ヒトモノクローナル抗体の産生に用いられてきた (Kozbar, J. Immunol. 133:3001 (1984); Brodeur et al., Monoclonal Antibody Production Techniques and Application, PP. 51-83 (Marcel Dekker, Inc., New York, 1987))。

【0019】

次に、ハイブリドーマ細胞が生育する培養培地を、抗原に対するモノクローナル抗体の産生について分析する。好ましくは、ハイブリドーマ細胞により産生されるモノクローナル抗体の結合特異性を、免疫沈降、または、放射免疫分析 (RIA) 若しくは酵素結合イムノソルベント検定法 (ELISA) 等のin vitro結合分析により測定する。所望の特異性、親和性及び/または活性を有する抗体を産生するハイブリドーマ細胞を同定した後、クローンを限定的希釈法によりサブクローニングし、標準的な方法により生育する (Godin, Monoclonal Antibodies: Principles and Practice, PP. 59-108, Academic Press, 1986)。この目的に適した培養培地は、例えば、D-MEMまたはRPIM-1640培地である。さらに、ハイブリドーマ細胞は、in vivoで動物中の腹水腫瘍として生育させることもできる。サブクローンにより分泌されるモノクローナル抗体は、好ましくは培養培地、腹水液、または血清から、例えば、プロテインA-セファロース、ハイドロキシアパタイトクロマトグラフィー、ゲル電気泳動、透析、またはアフィニティークロマトグラフィー等の慣用な免疫グロブリン精製方法により分離される。

【0020】

モノクローナル抗体をコードするDNAは、慣用な方法 (例えば、モノクローナル抗体の

10

20

30

40

50

重鎖及び軽鎖をコードする遺伝子に特異的に結合することができるオリゴヌクレオチドプローブを用いて)により容易に単離、配列決定できる。ハイブリドーマ細胞はこのようなDNAの好ましい出発材料である。一度単離したならば、DNAを発現ベクターに挿入し、E. coli細胞、サルCOS細胞、チャイニーズハムスター卵巣(CHO)細胞または形質転換されなければ免疫グロブリンを産生しないミエローマ細胞等の宿主細胞へ組換え、組換え宿主細胞からモノクローナル抗体を産生させる。また別の態様として、McCafferty et al. (Nature 348:552-554 (1990))により記載された技術を用いて製造された抗体ファージライブラリーより抗体、または抗体断片は単離することができる。

【0021】

Clackson et al. (Nature 352:624-628 (1991))、及び Marks et al. (J. Mol. Biol. 222:581-597 (1991))は、各々、ファージライブラリーを用いたマウス及びヒト抗体の単離について記載する。次の文献は、高親和性(nM範囲)ヒト抗体のチェーンシャッフリングによる製造(Marks et al., Bio/Technology 10:779-783 (1992))について、そして、巨大なファージライブラリーを構築するための方法としてのコンビナトリアル感染、及びin vivo組換え(Waterhouse et al., Nucleic Acids Res. 21:2285-2288 (1993))について記載する。これらの技術も、モノクローナル抗体の単離のために従来のモノクローナル抗体ハイブリドーマ技術に代えて利用し得る。

【0022】

モノクローナル抗体をコードするDNAはまた、例えば、ヒト重鎖、及び軽鎖の定常ドメインのコード配列をそれに対するマウス配列に代えて置換すること(米国特許第4,818,567号; Morrison et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA 81:6851 (1984))、または免疫グロブリン蛋白質を共有結合により結合させることにより改変することができる。典型的には、このような非免疫グロブリン蛋白質は、1つの抗原に対して特異性を有する抗原結合部位、及び、異なる抗原に対して特異性を有する抗原結合部位を有するキメラニ特異性抗体を構築するため、抗体の定常ドメインで置換するか、または、抗体の抗原結合部位の可変ドメインを置換する。

【0023】

また、本発明の蛋白質と結合する抗体としては、ヒト抗体、ヒト型化抗体、キメラ抗体、および抗体断片(例えば、Fab、F(ab')₂、及びFv)等も挙げられる。

【0024】

上記「ヒト型化抗体」とはマウス等のヒトにとって異種の抗体を改変して、H鎖とL鎖の相補性決定部以外の一二次構造をヒトの抗体の対応する一次構造で置き換えた抗体を言う。「キメラ抗体」とは、異種抗体由来のFab領域とFc領域とを有する抗体を意味する。

【0025】

本発明において、「抗体断片」とは、全長抗体の一部を指し、一般に、抗原結合領域または可変領域のことである。例えば、抗体断片にはFab、Fab'、F(ab')₂、及びFv断片が含まれる。抗体のバイン消化により、Fab断片と呼ばれる、それぞれ1つの抗原結合部位を有する2つの同じ抗原結合断片、及び、残りの容易に結晶化するために「Fc」と呼ばれる断片が生じる。また、ペプシン消化により2つの抗原結合部位を有し、抗原を交差結合し得るF(ab')₂断片、及び、残りの別な断片(PFc'と呼ばれる)が得られる。その他の断片としては、diabody (diabodies)、線状抗体、一本鎖抗体分子、及び抗体断片より形成された多特異性抗体が含まれる。

【0026】

ここで、「Fv」断片は最小の抗体断片であり、完全な抗原認識部位と結合部位を含む。この領域は1つの重鎖及び軽鎖の可変ドメインが非共有結合により強く連結されたダイマーである(V_H-V_Lダイマー)。各可変ドメインの3つのCDRが相互作用し、V_H-

10

20

30

40

50

V_L ダイマーの表面に抗原結合部位を形成する。6つのCDRは、抗体に抗原結合部位を付与するものである。しかしながら、1つの可変ドメイン（または、抗原に特異的な3つのCDRのみを含むFVの半分）であっても、全結合部位よりは低い親和性ではあるが、抗原を認識し結合する能力を有する。

【0027】

また、F α b断片（F（ α b）とも呼ばれる）はさらに、軽鎖の定常ドメイン、及び、重鎖の細胞の定常ドメイン（CH1）を含む。F α b'断片はF α b断片と、抗体のヒンジ領域からの1またはそれ以上のシステインを含む重鎖CH1ドメインのカルボキシ末端由来の数個の残基を付加的に有する点で異なる。

【0028】

本発明において、「diabody（diabodies）」とは、2つの抗原結合部位を有する小さな抗体断片を指し、該断片は、同じ蛋白質鎖中で軽鎖可変ドメイン（V_L）に連結された重鎖可変ドメイン（V_H）（V_H-V_L）を含む。同じ鎖中で2つのドメインの間を結合できない位に短いリンカーを用いると、2つのドメインはもう一方の鎖の定常ドメインとペアを形成し、2つの抗原結合部位が創り出される。Diabodyはより詳細に、例えば、EP404,097号、WO98/11161号、及びHollinger et al. (Proc. Natl. Acad. Sci. USA 90:6444-6448 (1993))に記載される。

【0029】

一本鎖抗体（以下、一本鎖FV若しくはSFVとも呼ぶ）、またはSFV抗体断片には、抗体のV_H及びV_Lドメインが含まれ、これらのドメインは単一の蛋白質鎖中に存在する。一般に、FV蛋白質はさらに、V_H及びV_Lドメインの間に蛋白質リンカーを含み、それによりSFVは、抗原結合のために必要な構造が形成できる。SFVの総説については、Pluckhun『The Pharmacology of Monoclonal Antibodies』Vol. 118 (Rosenburg及びMoore編、Springer Verlag, New York, PP. 269-315 (1994))を参照。

【0030】

多特異性抗体は、少なくとも2種類の異なる抗原に対して特異性を有する抗体である。通常このような分子は2個の抗原を結合するものであるが（即ち、二重特異性抗体）、本発明における「多特異性抗体」は、それ以上（例えば、3種類の）抗原に対して特異性を有する抗体を包含するものである。多特異性抗体は全長からなる抗体、またはそのような抗体の断片（例えば、F（ α b'）₂二特異性抗体）であり得る。

【0031】

従来、抗体断片は天然の抗体のプロテアーゼによる消化により製造されてきた（Mori moto et al., Journal of Biochemical and Biophysical Methods 24:107-117 (1992); Brennan et al., Science 229:81 (1985))が、現在は組換技術により製造することも可能である。例えば、上述の抗体フュージライブラリーから抗体断片を単離することもできる。また、大腸菌等の宿主より直接F（ α b'）₂-8H断片を回収し、F（ α b'）₂断片の形態に化学的結合させることもできる（Carter et al., Bio/Technology 10:163-167 (1992))。さらにまた別の方法としては、F（ α b'）₂断片を直接、組換宿主培養物から単離することもできる。その他、一本鎖抗体等の断片の作製方法も公知である一本鎖抗体を作成する方法は当技術分野において周知である（例えば、米国特許第4,946,778号、米国特許第5,260,208号、米国特許第5,091,513号、米国特許第5,455,030号等を参照）。

【0032】

当分野において多特異性抗体の製造法は公知である。全長の二特異性抗体の産生は、異なる特異性を有する2つの免疫グロブリン重鎖-軽鎖の共発現を含むものである（Mill

10

20

30

40

50

stein et al., Nature 305: 587-589 (1988))。免疫グロブリンの重鎖及び軽鎖はランダムに取り合わされるので、共発現を行う得られた複数のハイブリドーマ(クワドローマ)は、各々異なる抗体分子を発現するハイブリドーマの混合物であり、このうち正しい二特異性抗体を産生するものを選択する必要がある。選択はアフィニティークロマトグラフィー等の方法により行うことができる。また、別な方法では所望の結合特異性を有する抗体の可変領域を免疫グロブリンの定常ドメイン配列に融合する。該定常ドメイン配列は、好ましくは免疫グロブリンの重鎖の定常領域の内、ヒンジ、CH2及びCH3領域の一部を少なくとも含むものである。好ましくは、さらに軽鎖との結合に必要な重鎖のCH1領域が含まれる。免疫グロブリン重鎖融合体をコードするDNA、及び、所望により免疫グロブリン軽鎖をコードするDNAをそれぞれ別々の発現ベクターに挿入し、適当な宿主生物に形質転換する。別々の発現ベクターに各遺伝子を挿入することにより、それぞれの鎖の存在割合が同じでない方が、得られる抗体の収量が上がる場合に、各鎖の発現割合の調節が可能となり都合が良いが、当然ながら、複数の鎖をコードする遺伝子を一つのベクターに挿入して用いることも可能である。

【0033】

好ましい態様においては、第一の結合特性を有する重鎖がハイブリッド免疫グロブリンの一方の腕として存在し、別の結合特性の重鎖-軽鎖複合体がもう一方の腕として存在する二重特異性抗体が望ましい。このように一方の腕のみに軽鎖を存在させることにより、二重特異性抗体の他の免疫グロブリンからの分離を容易に行うことができる。該分離方法については、WO94/04890参照。二特異性抗体の作成方法については、さらに、Sutreski (Methods in Enzymology 121: 210 (1986))の方法を参照することができる。組換え細胞培養物から得られる最終産物中のホモダイマーを減らしヘテロダイマーの割合を増加させる方法として、抗体の定常ドメインのCH3を含み、一方の抗体分子において、他方の分子と結合する表面の1若しくは複数の小さな側鎖のアミノ酸を大きな側鎖のアミノ酸(例えば、チロシンやトリプトファン)に変え、他方の抗体分子の対応する部分の大きな側鎖のアミノ酸を小さなもの(例えば、アラニンやスレオニン)に変えて第一の抗体分子の大きな側鎖に対応する空洞を設ける方法も知られている(WO98/27011)。

【0034】

二重特異性抗体には、例えば、一方の抗体がアビジンに結合され、他方がビオチン等に結合されたようなヘテロ共役抗体が含まれる(米国特許第4,676,980号;WO91/00380;WO92/00373;EP03089)。このようなヘテロ共役抗体の作成に利用される架橋剤は周知であり、例えば、米国特許第4,676,980号にもそのような例が記載されている。

【0035】

また、抗体断片より二特異性抗体を製造する方法も報告されている。例えば、化学結合を利用して製造することができる。例えば、まずF(ab')₂断片を作成し、同一分子内でのジフルリド形成を防ぐため断片をジチオール錯化剤アルサニルナトリウムの存在化で還元する。次にF(ab')₂断片をチオニトロ安息香酸塩(TNB)誘導体に変換する。メルカプトエチルアミンを用いて一方のF(ab')₂-TNB誘導体をF(ab')₂-チオールに再還元した後、F(ab')₂-TNB誘導体及びF(ab')₂-チオールを等量混合し二特異性抗体を製造する。

【0036】

組換え細胞培養物から直接、二重特異性抗体を製造し、単離する方法も種々、報告されている。例えば、ロイシンジッパーを利用した二重特異性抗体の製造方法が報告されている(Kostelný et al., J. Immunol. 148(5): 1547-1553 (1992))。まず、Fos及びJun蛋白質のロイシンジッパーヘプチドを、遺伝子融合により異なる抗体のFab'部分に連結させ、ホモダイマーの抗体をヒンジ領域においてモノマーを形成するように還元し、抗体ヘテロダイマーとなるように再酸化する。また、軽鎖可変ドメイン(VL)に重鎖可変ドメイン(VH)を、これら2つの

ドメイン間での対形成できない位に短いリンカーを介して連結し、相補的な別のVL及びVHドメインと対を形成させ、それにより2つの抗原結合部位を形成させる方法もある(Hollinger et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA 90:8444-8448 (1993))。また、一本鎖FV(SFV)を用いたゲイマーについても報告されている(Gruber et al., J. Immunol. 152:5368 (1994))。さらに、二重特異性ではなく三重特異性の抗体についても報告されている(Tutt et al., J. Immunol. 147:80 (1991))。

【0037】

ヒト型化抗体は、免疫原(抗原)をヒト抗体産生トランスジェニック非ヒト 乳動物に免疫し、既存の一般的な抗体産生方法によって取得することができる。用いるヒト型化抗体産生非ヒト 乳動物、特にヒト型化抗体産生トランスジェニックマウスの作製方法は公知である(Nature Genetics 7:13-21 (1994); Nature Genetics 15:146-156 (1997); 特表平4-50436号公報; 特表平7-509137号公報; 日経サイエンス 8:40-50 (1995); 国際出願公開WO94/25585号公報; Nature 368:856-859 (1994); 特表平6-500233号公報等)。

【0038】

また、遺伝子組換え技術により、そのようなヒト化抗体の重鎖及び軽鎖の各々をコードするcDNA、好ましくは該cDNAを含むベクターにより宿主を形質転換して得られる遺伝子組換え宿主であって、遺伝子組換えヒトモノクローナル抗体を産生する宿主を培養することにより培養上清中から得ることもできる。ここで、該宿主は受精卵以外の真核細胞、好ましくはCHO細胞、リンパ球やミエロマ等の 乳動物細胞である。

【0039】

得られた抗体は、均一にまで精製することができる。抗体の分離、精製は通常の蛋白質で使用されている分離、精製方法を使用すればよい。例えばアフィニティークロマトグラフィー等のクロマトグラフィーカラム、フィルター、限外 過、塩析、透析、SDSポリアクリルアミドゲル電気泳動、等電点電気泳動等を適宜選択、組み合わせれば、抗体を分離、精製することができる(Antibodies: A Laboratory Manual, Ed Harlow and David Lane, Cold Spring Harbor Laboratory, 1988) が、これらに限定されるものではない。アフィニティークロマトグラフィーに用いるカラムとしては、アロテインAカラム、アロテインGカラムが挙げられる。例えばアロテインAカラムを用いたカラムとして、Hyper D, POROS, Sepharose F, F. (Pharmacia) 等が挙げられる。

【0040】

抗体には各種試薬を結合して使用することもできる。このような試薬としては、ドキソルビシン、メトトレキサート、タキソールなどの化学療法剤、重金属、放射核種、Pseudomonas解毒素などのトキシン類を挙げることができる。治療用試薬との結合体を生産する方法および治療用に使用する方法については、米国特許5057313号、米国特許5156840号に記載されている。

【0041】

また、抗Wnt5A抗体または抗Frlzled5抗体を有効成分として含有する薬剤を投与することにより、癌の治療(または癌の予防)を行うことが可能である。本発明は、このような癌の治療方法(または癌の予防方法)もまた提供する。

【0042】

抗Wnt5A抗体または抗Frlzled5抗体を有効成分として含有する薬剤は、経口、非経口投与のいずれでも可能であるが、好ましくは非経口投与であり、具体的には、注射剤型、経鼻投与剤型、経肺投与剤型、経皮投与型などが挙げられる。注射剤型の例としては、例えば、静脈内注射、筋肉内注射、腹腔内注射、皮下注射などにより全身または

10

20

30

40

50

局部的に投与することができる。

【0048】

抗Wn75A抗体または抗Frlzxl5抗体を有効成分として含有する薬剤自体を直接患者に投与する以外に、公知の製剤学的方法により製剤化した薬剤として投与を行うことも可能である。例えば、水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、又は懸濁液剤の注射剤の形で使用できる。また、例えば、薬理学上許容される担体もしくは媒体、具体的には、滅菌水や生理食塩水、乳化剤、懸濁剤、界面活性剤、安定剤、ベヒクル、防腐剤などと適宜組み合わせ、一般に認められた製薬実施に要求される単位用量形態で混和することによって製剤化することが考えられる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な容量が得られるようにするものである。

10

【0044】

注射のための無菌組成物は注射用蒸留水のようなベヒクルを用いて通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水溶液としては、例えば生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液、例えばD-ソルビトール、D-マンノース、D-マンニトール、塩化ナトリウムが挙げられ、適当な溶解補助剤、例えばアルコール、具体的にはエタノール、ポリアルコール、例えばフロレングリコール、ポリエチレングリコール、非イオン性界面活性剤、例えばポリソルベート80TM、HCO-50と併用してもよい。

【0045】

油性液としてはゴマ油、大豆油があげられ、溶解補助剤として安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールと併用してもよい。また、緩衝剤、例えばリン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液、無痛化剤、例えば、塩酸アロカイン、安定剤、例えばベンジルアルコール、フェノール、酸化防止剤と配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンフルに充填させる。

20

【0046】

また、患者の年齢、症状により適宜投与量を選択することができる。例えば、一回につき体重1kgあたり0.0001mgから1000mgの範囲で選ぶことが可能である。あるいは、例えば、患者あたり0.001~100000mg/bodyの範囲で投与量を選ぶことができる。しかしながら、本発明の治療薬はこれらの投与量に制限されるものではない。

【0047】

本発明には、Wn75Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質の発現を抑制するためのヌクレオチドまたはヌクレオチド誘導体を有効成分として含有する抗癌剤もまた含まれる。

30

【0048】

本発明において、Wn75Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質の発現を抑制するためのヌクレオチドまたはヌクレオチド誘導体としては、特に制限はなく、例えば、アンチセンスオリゴヌクレオチドまたはその誘導体が挙げられる。

【0049】

アンチセンスオリゴヌクレオチドとしては、例えば、Wn75Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質をコードするDNA配列（Wn75Aタンパク質：例えば、アクセッションW49672、Frlzxl5タンパク質：例えば、アクセッションAB048702）中のいずれかの箇所にハイブリダイズするアンチセンスオリゴヌクレオチドが含まれる。このアンチセンスオリゴヌクレオチドは、好ましくはWn75Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質のDNA配列中の連続する少なくとも15個以上のヌクレオチドに対するアンチセンスオリゴヌクレオチドである。さらに好ましくは、連続する少なくとも15個以上のヌクレオチドが翻訳開始コドンを含むアンチセンスオリゴヌクレオチドである。

40

【0050】

アンチセンスオリゴヌクレオチドとしては、それらの誘導体や修飾体を使用することができる。修飾体として、例えばメチルホスホネート型又はエチルホスホネート型のような低

50

級アルキルホスホネート修飾体、ホスホロチオエート修飾体又はホスホロアミデート修飾体等が挙げられる。

【0051】

アンチセンスオリゴヌクレオチドは、DNA又はmRNAの所定の領域を構成するヌクレオチドに対応するヌクレオチドが全て相補配列であるもののみならず、DNAまたはmRNAとオリゴヌクレオチドとがDNA配列に特異的にハイブリダイズできる限り、1又は複数のヌクレオチドのミスマッチが存在しているものも含まれる。

【0052】

本発明のアンチセンスオリゴヌクレオチド誘導体は、Wnt5Aタンパク質またはFrl5αタンパク質の産生細胞に作用して、該Wnt5Aタンパク質またはFrl5αタンパク質をコードするDNA又はmRNAに結合することにより、その転写又は翻訳を阻害したり、mRNAの分解を促進したりして、Wnt5Aタンパク質またはFrl5αタンパク質の発現を抑制することにより、結果的にWnt5Aタンパク質またはFrl5αタンパク質の作用を抑制する効果を有する。

【0053】

本発明のアンチセンスオリゴヌクレオチドやその誘導体は、それらに対して不活性な適当な基剤と混和して塗布剤、ハップ剤等の外用剤とすることができる。

【0054】

また、必要に応じて、賦形剤、等張化剤、溶解補助剤、安定化剤、防腐剤、無痛化剤等を加えて錠剤、散剤、粒剤、カプセル剤、リボソームカプセル剤、注射剤、液剤、点鼻剤など、さらに凍結乾燥剤とすることができる。これらは常法にしたがって調製することができる。

【0055】

本発明のアンチセンスオリゴヌクレオチドやその誘導体は患者の患部に直接適用するか、又は血管内に投与するなどして結果的に患部に到達し得るように患者に適用する。さらには、持続性、膜透過性を高めるアンチセンス封入素材を用いることもできる。例えば、リボソーム、ポリーリジン、リビッド、コレステロール、リボフェクチン又はこれらの誘導体が挙げられる。

【0056】

本発明のアンチセンスオリゴヌクレオチドやその誘導体の投与量は、患者の状態に応じて適宜調整し、好ましい量を用いることができる。

【0057】

また、本発明は、被験試料における抗癌活性の有無を評価する方法、並びに、抗癌活性を有する試料のスクリーニング方法を提供する。

【0058】

本発明の方法における「被験試料」としては、特に制限はなく、例えば、天然化合物、有機化合物、無機化合物、タンパク質、ペプチド等の単一化合物、並びに、化合物ライブラリー、遺伝子ライブラリーの発現産物、細胞抽出物、細胞培養上清、発酵微生物産生物、海洋生物抽出物、植物抽出物、原核細胞抽出物、真核単細胞抽出物もしくは動物細胞抽出物等を挙げることができる。上記被験試料は必要に応じて適宜標識して用いることができる。標識としては、例えば、放射標識、蛍光標識等を挙げることができる。また、「複数の被験試料」としては、特に制限はなく、例えば、上記被験試料に加えて、これらの被験試料を複数種混合した混合物も含まれる。

【0059】

本発明の方法において、Wnt5Aタンパク質またはFrl5αタンパク質が由来する生物種としては、特定の生物種に限定されるものではない。例えば、ヒト、サル、マウス、ラット、モルモット、ブタ、ウシ、ヒツジ、ヤギなどが挙げられる。

【0060】

また、本発明の方法において、「抑制されている」とは、完全に阻害されている場合だけでなく、減少している場合も含む。

10

20

30

40

50

【0061】

本発明の評価方法の第一の態様としては、まず、WNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質に被験試料を接触させる。第一の態様に用いられるWNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質の状態としては、特に制限はなく、例えば、精製された状態、細胞内に発現した状態、細胞抽出液内に発現した状態などであってもよい。

【0062】

WNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質の精製は周知の方法で行うことができる(Onco9ene 1994, Jan. 9(1), 313-7; Onco9ene 1992, Jan. 7(1):153-61, PNAS, 1999, 96, 3546-51)。

【0063】

また、WNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質が発現している細胞としては、内在性のWNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質を発現している細胞、または外来性のWNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質を発現している細胞が挙げられる。上記内在性のWNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質を発現している細胞としては、培養細胞などを挙げることもできるが、これに限定されるものではない。上記培養細胞としては、特に制限はなく、例えば、LC-1/S9(Int. J. Cancer, 1991, 49, 438-448)、LUDLU-1(Genes, Chromosomes and Cancer 1989:1:95)、8Q-5(Cancer Immunol Immunother, 1992, 35, 225-229)等を用いることが可能である。

【0064】

また、上記外来性のWNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質を発現している細胞は、例えば、WNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質をコードするDNAを含むベクターを細胞に導入することによって作製できる。ベクターの細胞への導入は、当業者に一般的な方法によって実施することができる。また、上記外来性のWNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質を有する細胞は、例えば、WNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質をコードするDNAを、相同組み換えを利用した遺伝子導入法により、染色体へ挿入することによって作製することができる。このような外来性のWNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質が導入される細胞が由来する生物種としては、特に限定されず、外来タンパク質を細胞内に発現させる技術が確立されている生物種であればよい。

【0065】

また、WNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質が発現している細胞抽出液は、例えば、試験管内転写翻訳系に含まれる細胞抽出液に、WNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質をコードするDNAを含むベクターを添加したものを挙げることもできる。該試験管内転写翻訳系としては、特に制限はなく、市販の試験管内転写翻訳キットなどを使用することが可能である。

【0066】

また、本発明において「接触」は、WNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質の状態に応じて行う。例えば、WNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質が精製された状態であれば、精製標品に被験試料を添加することにより行うことができる。また、細胞内に発現した状態または細胞抽出液内に発現した状態であれば、それぞれ、細胞の培養液または該細胞抽出液に被験試料を添加することにより行うことができる。被験試料がタンパク質の場合には、例えば、該タンパク質をコードするDNAを含むベクターを、WNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質が発現している細胞へ導入する、または該ベクターをWNT5Aタンパク質またはFrlzxl5タンパク質が発現している細胞抽出液に添加することにより行うことも可能である。また、例えば、酵母または動物細胞等を用いた2ハイブリッド法を利用することも可能である。

【0067】

第一の態様では、次いで、上記WNT5Aタンパク質またはFrlizled5タンパク質の活性を測定する。WNT5A/Frlizled5タンパク質の活性としては、可溶性のWNT5A蛋白とFrlizled5のectodomainとを用いた結合試験で、適当な標識を使ったELISAあるいはBIAcore等の方法によって評価される活性が挙げられる(PNAS, 1999, 96:8548-51)。また、Cell-based アッセイとしてはcanonical Pathwayを利用したβcateninの安定化あるいはTCF反応性プロモータを利用したレポータ試験(Cancer Lett 2002 Sep 8:183(1):95-101)、non-canonical Pathwayを利用したPKC活性が挙げられる(Cancer Cell 2002 Apr;1(3):279-88, Proc Natl Acad Sci U S

10

A. 2000 Mar 14:97(6):2791-6.)。

【0068】

第一の態様においては、上記WNT5Aタンパク質またはFrlizled5タンパク質の活性が、被験試料を接触させないときに比べ減少する場合に、被験試料が抗癌活性を有すると判定される。

【0069】

本発明の評価方法の第二の態様としては、まず、WNT5A遺伝子またはFrlizled5遺伝子のプロモーター領域の下流にレポーター遺伝子が機能的に結合したDNAを有する細胞または細胞抽出液を提供する。

20

【0070】

第二の態様において、「機能的に結合した」とは、WNT5A遺伝子またはFrlizled5遺伝子のプロモーター領域に転写因子が結合することにより、レポーター遺伝子の発現が誘導されるように、WNT5A遺伝子またはFrlizled5遺伝子のプロモーター領域とレポーター遺伝子とが結合していることをいう。従って、レポーター遺伝子が他の遺伝子と結合しており、他の遺伝子産物との融合タンパク質を形成する場合であっても、WNT5A遺伝子またはFrlizled5遺伝子のプロモーター領域に転写因子が結合することによって、該融合タンパク質の発現が誘導されるものであれば、上記「機能的に結合した」の意に含まれる。

30

【0071】

上記レポーター遺伝子としては、その発現が検出可能なものであれば特に制限されず、例えば、当業者において一般的に使用されるCAT遺伝子、lacZ遺伝子、ルシフェラーゼ遺伝子、β-グルクロニダーゼ遺伝子(GUS)およびGFP遺伝子等を挙げることができる。また、上記レポーター遺伝子には、WNT5Aタンパク質またはFrlizled5タンパク質をコードするDNAもまた含まれる。

【0072】

第二の態様では、次いで、上記細胞または上記細胞抽出液に被験試料を接触させる。次いで、該細胞または該細胞抽出液における上記レポーター遺伝子の発現レベルを測定する。

【0073】

レポーター遺伝子の発現レベルは、使用するレポーター遺伝子の種類に応じて、当業者に公知の方法により測定することができる。例えば、レポーター遺伝子がCAT遺伝子である場合には、該遺伝子産物によるクロラムフェニコールのアセチル化を検出することによって、レポーター遺伝子の発現レベルを測定することができる。レポーター遺伝子がlacZ遺伝子である場合には、該遺伝子発現産物の触媒作用による色素化合物の発色を検出することにより、また、ルシフェラーゼ遺伝子である場合には、該遺伝子発現産物の触媒作用による蛍光化合物の蛍光を検出することにより、また、β-グルクロニダーゼ遺伝子(GUS)である場合には、該遺伝子発現産物の触媒作用によるGlucuron(ICN社)の発光やβ-プロモ-4-クロロ-3-インドリル-β-グルクロニド(X-Gluc)の発色を検出することにより、さらに、GFP遺伝子である場合には、GFPタン

40

50

バク質による蛍光を検出することにより、レポーター遺伝子の発現レベルを測定することができる。

【0074】

また、WNT5A遺伝子またはFrlzxlcd5遺伝子をレポーターとする場合、該遺伝子の発現レベルの測定は、当業者に公知の方法によって行うことができる。例えば、該遺伝子のmRNAを定法に従って抽出し、このmRNAを鋳型としたノーザンハイブリダイゼーション法、またはRT-PCR法を実施することによって該遺伝子の転写レベルの測定を行うことができる。さらに、DNAアレイ技術を用いて、該遺伝子の発現レベルを測定することも可能である。

【0075】

また、該遺伝子からコードされるWNT5Aタンパク質またはFrlzxlcd5タンパク質を含む画分を定法に従って回収し、該WNT5Aタンパク質またはFrlzxlcd5タンパク質の発現をSDS-PAGE等の電気泳動法で検出することにより、遺伝子の翻訳レベルの測定を行うこともできる。また、WNT5Aタンパク質またはFrlzxlcd5タンパク質に対する抗体を用いて、ウェスタンブロットング法などを実施し、該WNT5Aタンパク質またはFrlzxlcd5タンパク質の発現を検出することにより、遺伝子の翻訳レベルの測定を行うことも可能である。

【0076】

第二の態様においては、上記レポーター遺伝子の発現レベルが、被験試料を接触させないときに比べ減少する場合に、被験試料が抗癌活性を有すると判定される。

【0077】

さらに、本発明は、抗癌活性を有する試料を効率的にスクリーニングする方法を提供する。本発明の抗癌活性を有する試料のスクリーニング方法の一つの態様においては、上記評価方法を利用して、複数の被験試料について、抗癌活性の有無を評価し、抗癌活性を有すると評価された試料を選択する。

【0078】

上記スクリーニング方法の他の態様においては、まず、WNT5Aタンパク質またはFrlzxlcd5タンパク質に複数の被験試料を接触させる。次いで、WNT5Aタンパク質またはFrlzxlcd5タンパク質と被験試料との結合を検出する。次いで、WNT5Aタンパク質またはFrlzxlcd5タンパク質と結合する被験試料を選択する。

【0079】

WNT5Aタンパク質またはFrlzxlcd5タンパク質を用いて、これに結合するポリペプチドをスクリーニングする方法としては、当業者に公知の多くの方法を用いることが可能である。このようなスクリーニングは、例えば、免疫沈降法により行うことができる。具体的には、以下のように行うことができる。WNT5Aタンパク質またはFrlzxlcd5タンパク質をコードするDNAを、pSV2neo、pCDNA1、pCD8などの外来遺伝子発現用のベクターに挿入することによって動物細胞などで当該遺伝子を発現させる。発現に用いるプロモーターとしては、SV40 early Promoter (Rigby In Williamson (ed.), Genetic Engineering, Vol. 3, Academic Press, London, P. 83-141 (1982)), EF-1 α Promoter (Kim & Gene 91, P. 217-223 (1990)), CAG Promoter (Niwa et al. Gene 108, P. 193-200 (1991)), RSV LTR Promoter (Cullen Methods in Enzymology 152, P. 684-704 (1987)), 8R α Promoter (Takebe et al. Mol. Cell. Biol. 8, P. 466 (1988)), CMV immediate early Promoter (Seed and Aruffo Proc. Natl. Acad. Sci. USA 84, P. 3865-3869 (1987)), SV40 late Promoter (Gheysen and Fiers J. Mol

10

20

30

40

50

Appl. Genet. 1, P. 385-394 (1982)), Adenovirus late Promoter (Kaufman et al. Mol. Cell. Biol. 9, P. 948 (1989)), HSV TK Promoter 等の一般的に使用できるプロモーターであれば何を用いてもよい。

【0080】

動物細胞に遺伝子を導入することで外来遺伝子を発現させるためには、エレクトロポレーション法 (Chu, G. et al. Nucl. Acid Res. 15, 1311-1326 (1987))、リン酸カルシウム法 (Chen, C and Okayama, H. Mol. Cell. Biol. 7, 2745-2752 (1987))、DEAEデキストラン法 (Lopata, M. A. et al. Nucl. Acids Res. 12, 5707-5717 (1984); Sussman, D. J. and Milman, G. Mol. Cell. Biol. 4, 1842-1843 (1985))、リポフェクシン法 (Derijard, B. Cell 7, 1025-1037 (1994); Lamb, B. T. et al. Nature Genetics 5, 22-30 (1993); Rabin dran, S. K. et al. Science 259, 230-234 (1993))等の方法があるが、いずれの方法によってもよい。

【0081】

特異性の明らかなっているモノクローナル抗体の認識部位(エピトープ)をWNT5Aタンパク質またはF_{trixx}led5タンパク質のN末またはC末に導入することにより、モノクローナル抗体の認識部位を有する融合ポリペプチドとしてWNT5Aタンパク質またはF_{trixx}led5タンパク質を発現させることができる。用いるエピトープ-抗体系としては市販されているものを利用することができる(実験医学 13, 85-90 (1995))。マルチクローニングサイトを介して、β-ガラクトシダーゼ、マルトース結合タンパク質、グルタチオンS-トランスフェラーゼ、緑色蛍光タンパク質(GFP)などとの融合ポリペプチドを発現することができるベクターが市販されている。また、融合ポリペプチドにすることによりWNT5Aタンパク質またはF_{trixx}led5タンパク質の性質をできるだけ変化させないようにするために数個から十数個のアミノ酸からなる小さなエピトープ部分のみを導入して、融合ポリペプチドを調製する方法も報告されている。例えば、ポリヒスチジン(His-₆)、インフルエンサ凝集素 HA、ヒトc-myc、FLAG、Vesicular stomatitis ウイルス糖タンパク質(VSV-GP)、T7 gene10 タンパク質(T7-₆)、ヒト単純ヘルペスウイルス糖タンパク質(HSV-₆)、E-₆(モノクローナルファージ上のエピトープ)などのエピトープとそれを認識するモノクローナル抗体を、WNT5Aタンパク質またはF_{trixx}led5タンパク質に結合するポリペプチドのスクリーニングのためのエピトープ-抗体系として利用できる(実験医学 13, 85-90 (1995))。

【0082】

免疫沈降においては、これらの抗体を、適当な界面活性剤を利用して調製した細胞溶解液に添加することにより免疫複合体を形成させる。この免疫複合体はWNT5Aタンパク質またはF_{trixx}led5タンパク質、それと結合能を有するポリペプチド、および抗体からなる。上記エピトープに対する抗体を用いる以外に、WNT5Aタンパク質またはF_{trixx}led5タンパク質に対する抗体を利用して免疫沈降を行うことも可能である。WNT5Aタンパク質またはF_{trixx}led5タンパク質に対する抗体は、例えば、WNT5Aタンパク質またはF_{trixx}led5タンパク質をコードする遺伝子を適当な大腸菌発現ベクターに導入して大腸菌内で発現させ、発現させたポリペプチドを精製し、これをウサギやマウス、ラット、ヤギ、ニワトリなどに免疫することによって調製することができる。また、合成したWNT5Aタンパク質またはF_{trixx}led5タンパク質の部分ペプチドを上記の動物に免疫することによって調製することもできる。

【0088】

免疫複合体は、例えば、抗体がマウスIgG抗体であれば、Protein A SepharoseやProtein G Sepharoseを用いて沈降させることができる。また、WNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質を、例えば、GSTなどのエピトープとの融合ポリペプチドとして調製した場合には、グルタチオン-Sepharose 4Bなどのこれらエピトープに特異的に結合する物質を利用して、WNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質の抗体を利用した場合と同様に、免疫複合体を形成させることができる。

【0084】

免疫沈降の一般的な方法については、例えば、文献(Harlow, E. and Lane, D.: Antibodies, PP. 511-552, Cold Spring Harbor Laboratory Publications, New York (1988))記載の方法に従って、または準じて行えばよい。

【0085】

免疫沈降されたポリペプチドの解析にはSDS-PAGEが一般的であり、適当な濃度のゲルを用いることでポリペプチドの分子量により結合していたポリペプチドを解析することができる。また、この際、一般的にはWNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質に結合したポリペプチドは、クマシー染色や銀染色といったポリペプチドの通常の染色法では検出することは困難であるので、放射性同位元素である³⁵S-メチオニンや³⁵S-システインを含んだ培養液で細胞を培養し、該細胞内のポリペプチドを標識して、これを検出することで検出感度を向上させることができる。ポリペプチドの分子量が判明すれば直接SDS-ポリアクリルアミドゲルから目的のポリペプチドを精製し、その配列を決定することもできる。

【0086】

また、WNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質を用いて、該WNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質に結合するポリペプチドを単離する方法としては、例えば、Skolnikの方法(Skolnik, E. Y. et al., Cell (1991) 65, 88-90)を用いて行うことができる。すなわち、WNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質と結合するポリペプチドを発現していることが予想される細胞、組織よりファージベクター(入射11, 30 APなど)を用いたcDNAライブラリーを作製し、これをLB-アガロース上で発現させフィルターに発現させたポリペプチドを固定し、精製して標識したWNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質と上記フィルターとを反応させ、WNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質と結合したポリペプチドを発現するフラクを標識により検出すればよい。WNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質を標識する方法としては、ビオチンとアビジンの結合性を利用する方法、WNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質又はWNT5Aタンパク質またはFriedländerタンパク質に融合したポリペプチド(例えばGSTなど)に特異的に結合する抗体を利用する方法、ラジオアイソトープを利用する方法又は蛍光を利用する方法等が挙げられる。

【0087】

また、本発明のスクリーニング方法の他の態様としては、細胞を用いた2-ハイブリッドシステム(Fields, S., and Sternberg, R., Trends Genet. (1994) 10, 288-292, Dalton S. and Treisman R (1992) Characterization of SAP-1, a protein recruited by serum response factor to the c-fos serum response element, Cell 68, 597-612, 「MATCHMARKER Two-Hybrid System」, 「Mammalian MATCHMAKER Two-Hybrid Assay Kit」, 「MATCHMAKER One-Hy 50

brid system」(いずれもクロンテック社製)、「Hybrid Vector system」(ストラタジーン社製))を用いて行う方法が挙げられる。

【0088】

2-ハイブリッドシステムにおいては、WNT5Aタンパク質もしくはFusedタンパク質またはこれらの部分ペプチドをSRF DNA結合領域またはGAL4 DNA結合領域と融合させて酵母細胞の中で発現させ、WNT5Aタンパク質またはFusedタンパク質と結合するポリペプチドを発現していることが予想される細胞より、VP16またはGAL4転写活性化領域と融合する形で発現するようなcDNAライブラリーを作製し、これを上記酵母細胞に導入し、検出された陽性クローンからライブラリー由来cDNAを単離する(酵母細胞内でWNT5Aタンパク質またはFusedタンパク質と結合するポリペプチドが発現すると、両者の結合によりレポーター遺伝子が活性化され、陽性のクローンが確認できる)。単離したcDNAを大腸菌に導入して発現させることにより、該cDNAがコードするポリペプチドを得ることができ、これによりWNT5Aタンパク質またはFusedタンパク質に結合するポリペプチドまたはその遺伝子を調製することが可能である。

10

【0089】

2-ハイブリッドシステムにおいて用いられるレポーター遺伝子としては、例えば、HIS3遺伝子、Ade2遺伝子、LacZ遺伝子、CAT遺伝子、ルシフェラーゼ遺伝子、PAI-1(Plasminogen activator inhibitor 1)遺伝子等が挙げられるが、これらに制限されない。2ハイブリッド法によるスクリーニングは、酵母の他、哺乳動物細胞などを使って行うこともできる。

20

【0090】

WNT5Aタンパク質またはFusedタンパク質と結合する化合物のスクリーニングは、アフィニティークロマトグラフィーを用いて行うこともできる。例えば、WNT5Aタンパク質またはFusedタンパク質をアフィニティークラムの担体に固定し、ここにWNT5Aタンパク質またはFusedタンパク質と結合するポリペプチドを発現していることが予想される被検試料を適用する。この場合の被検試料としては、例えば細胞抽出物、細胞溶解物等が挙げられる。被検試料を適用した後、カラムを洗浄し、WNT5Aタンパク質またはFusedタンパク質に結合したポリペプチドを調製することができ、

30

【0091】

得られたポリペプチドは、そのアミノ酸配列を分析し、それを基にオリゴDNAを合成し、該DNAをプローブとしてcDNAライブラリーをスクリーニングすることにより、該ポリペプチドをコードするDNAを得ることができ、

【0092】

また、ポリペプチドに限らず、WNT5Aタンパク質またはFusedタンパク質に結合する化合物を単離する方法としては、例えば、固定したWNT5Aタンパク質またはFusedタンパク質に、合成化合物、天然物バンク、もしくはランダムペプチドディスプレイライブラリーを作用させ、WNT5Aタンパク質またはFusedタンパク質に結合する分子をスクリーニングする方法や、コンビナトリアルケミストリー技術によるハイスループットを用いたスクリーニング方法(Wrighton NC; Farrell FX; Chang R; Kashyap AK; Barbone FP; Mulcahy LS; Johnson DL; Barrett RW; Jolliffe LK; Dower WJ., Small peptides as potent mimetics of the protein hormone erythropoietin. Science (UNITED STATES) Jul 26 1996, 273 P458-64, Verdine GL., The combinatorial chemistry of nature. Nature (ENGLAND) Nov 7 1996, 384 P1

40

50

1-18, Hogan JC Jr., Directed combinatorial chemistry. Nature (ENGLAND) Nov 7 1998, 384 P17-9) が当業者に公知である。

【0098】

本発明において、結合した化合物を検出又は測定する手段として表面プラズモン共鳴現象を利用したバイオセンサーを使用することもできる。表面プラズモン共鳴現象を利用したバイオセンサーは、WNT5Aタンパク質またはFrlxzl5タンパク質と被験試料との間の相互作用を微量のポリペプチドを用いてかつ標識することなく、表面プラズモン共鳴シグナルとしてリアルタイムに観察することが可能である（例えばBIAcore、Pharmacia製）。したがって、BIAcore等のバイオセンサーを用いることによりWNT5Aタンパク質またはFrlxzl5タンパク質と被験試料との結合を評価することが可能である。

10

【0094】

本発明のスクリーニング方法においては、上記方法により得られたWNT5Aタンパク質またはFrlxzl5タンパク質と結合する被験試料について、本発明の評価方法により、抗癌活性の有無を評価する。次いで、WNT5Aタンパク質またはFrlxzl5タンパク質と結合する被験試料から抗癌活性を有すると評価された試料を選択する。また、WNT5Aタンパク質またはFrlxzl5タンパク質と結合する被験試料を癌細胞に接触させ、例えば該癌細胞の増殖を測定すること、抗癌活性を有する試料を選択することが可能である。上記癌細胞としては、特に制限はなく、臨床検体、培養細胞株などが例示できる。

20

【0095】

さらに、本発明においては、抗癌活性を有する医薬組成物の製造方法を提供する。該製造方法においては、上記スクリーニング方法によって抗癌活性を有すると評価された試料と医薬上許容される担体とを混合する。該担体としては、例えば界面活性剤、賦形剤、着色料、着色料、保存料、安定剤、緩衝剤、懸濁剤、等張化剤、結合剤、崩壊剤、滑沢剤、流動性促進剤、矯味剤等が挙げられるが、これらに制限されず、その他常用の担体を適宜使用することができる。具体的には、軽質無水ケイ酸、乳糖、結晶セルロース、マンニトール、デンプン、カルメロースカルシウム、カルメロースナトリウム、ヒドロキシプロピルセルロース、ヒドロキシプロピルメチルセルロース、ポリビニルアセタールジエチルアミノアセテート、ポリビニルピロリドン、ゼラチン、中鎖脂肪酸トリグリセライド、ポリオキシエチレン硬化ヒマシ油60、白糖、カルボキシメチルセルロース、コーンスターチ、無機塩類等を挙げることができる。

30

【0096】

【実施例】

以下、本発明を実施例により、さらに具体的に説明するが本発明はこれら実施例に制限されるものではない。

【実施例1】 アレイスライドの作成

スライドガラスに貼り付ける7685遺伝子のうち6784はResearch Genes社より購入したIMAGEクローン、699は癌への関与が知られた、あるいは規定される中外所有のクローンに由来し、残る252は陰性コントロールとして加えた（Alu配列、ルシフェラーゼ等）ものでデータ解析からは除外した。スライド作成はHedge, P. 等の方法（Cancer Res. (2001) 61: 7792-7797）に準じて行い、Microarray II（BioRobotics社製）を用いて1枚のスライドに7685遺伝子をduplicateで貼り付けた。

40

【0097】

【実施例2】 フローアの調製、ハイブリゲイゼーション及び測定

38株のヒト肺癌由来細胞株、3株の正常ヒト嚢嚢芽細胞株（表1）、43例の各種病型肺癌臨床検体および6例の正常肺組織（表2）を材料とした。

【0098】

50

【表 1】

Sample Number	Age	Sex	Pathological diagnosis	Diff. grade	Nodes	Survival	Obs.(months)
544	68	M	SCLC		0/2	dead	12
571	68	M	SCLC, intermediate		0/2	dead*	63
594	69	M	SCC, basaloid type		1/3	alive	44
602	67	M	AC, Papillary	well	1/2	alive	65
694	85	M	SCC	poorly	1/2	dead	21
707	48	M	AC	moderately		alive	61
726	65	F	bronchiole-alveolar AC	well		alive	62
745	70	M	LCC, Spindle cell			dead	5
747	60	M	AC, Papillary	poorly		alive	61
798	78	M	normal	n/a		n/a	n/a
833	52	M	AC, Papillary	moderately		alive	62
841	54	M	AC with spindle cell change	poorly		dead	10
866	67	M	AC, mucus secreting	well		alive	61
882	61	F	AC, Papillary	well		alive	59
874	47	M	AC, Papillary	moderately		alive	60
936	63	M	AC, Papillary	moderately		dead	24
948	59	F	AC, Papillary	moderately	1/5	alive	56
1017	59	F	AC, Papillary	poorly		alive	60
1037			normal	n/a		n/a	n/a
1050			normal	n/a		n/a	n/a
1051	68	M	SCC	moderately	1/4	dead	38
1056			normal	n/a		n/a	n/a
1071	75	M	SCC	moderately		dead	48
1074			normal	n/a		n/a	n/a
1078			AC, Papillary	well			
1090			normal	n/a		n/a	n/a
1142	59	M	AC, Acinar	poorly		dead	38
1195	76	F	SCC	moderately	0/5	alive	55
1288	57	M	SCC	moderately	2/3	dead	41
1408	74	M	SCLC, post chemotherapy			dead	13
1438	64	M	SCC	moderately	0/4	alive	43
1485	67	M	LCC		0/6	alive	49
1498	62	M	carcinoid, typical		0/6	alive	55
1531	80	M	LCC		0/6	alive	54
1926	78	M	SCLC			alive	49
1834	44	M	LCC			dead	3
1997	54	M	LCC			dead	15
2001	70	M	SC	moderately		alive	42
2013	45	M	carcinoid, typical			dead	17
2212	80	M	SCLC				
2425	53	M	SCLC			dead	1
2713	50	M	AC	poorly		dead	17
3105	68	M	SCLC intermediate			alive	30
3124	50	M	SCC	moderately		dead	31
3170	68	F	SCLC				
3313	16	F	carcinoid, typical			alive	24
4180	43	M	AC	poorly		dead	17
4271	71	M	SCLC				
4319	72	M	LCC				

【0099】

【表 2】

10

20

30

40

Name	description	source
ABC-1	AC	JCRB
CALU 1	SCC	ECACC
COLO 668	SCLC - metastasis to brain	ECACC
COR-L105	AC	ECACC
COR-L51	SCLC	ECACC
COR-L88	SCLC	ECACC
DMS53	SCLC	ATCC
DMS79	SCLC	ATCC
EBC-1	SCC	JCRB
EKVX	non-small cell lung cancer	NCI
HF19	fetal lung fibroblast	ROB
HOP-62	non-small cell lung cancer	NCI
HOP-92	non-small cell lung cancer	NCI
IMR-90-SV	fetal lung fibroblast	ROB
LC-1/sq	SCC	ROB
LC-2/ad	AC	JCRB
LK-2	SCC	JCRB
Lu-130	SCLC	ROB
Lu-134-A	SCLC	ROB
LUDLU-1	SCC	ECACC
MRC-5	fetal lung fibroblast	ROB
MS-1	SCLC	ROB
NCI H460	non-small cell lung cancer	NCI
NCI H522	non-small cell lung cancer	NCI
NCI-H226	non-small cell lung cancer	ATCC
NCI-H23	AC	NCI
NCI-H322	bronchioloalveolar AC	ATCC
PC-14	AC	ROB
PC-3	AC	JCRB
RERF-LC-AI	SCC	ROB
RERF-LC-MA	SCLC	JCRB
RERF-LC-MS	AC	JCRB
RERF-LC-OK	AC	JCRB
SBC-2	SCLC	JCRB
SBC-3	SCLC	JCRB
SBC-5	SCLC	JCRB
SK LU 1	AC	ECACC
SK MES 1	SCC	ATCC
SNB-19	SCLC	NCI
SQ-5	SCC	ROB
VMRC-LCD	AC	JCRB

10

20

30

40

【 0 1 0 0 】

臨床検体は（財）癌研究会癌研究所にて患者の informed consent および倫理委員会の承認のもとで外科的摘除時に採取したものである。レファレンスサンプルとしては可能な限り多くの遺伝子について情報が得られる事を考慮して、20%の正常肺組

50

總にNCI-H226、NCI-H522、EKVX、NCI-H460、Lu-134 A、MRC5、8Q5、H23、PC14、M81の10種の細胞株を夫々8%ずつ加えたものを用いた。全ての細胞株はRNAlater (Ambion社製)を用いて細胞浮遊液とした。臨床検体はRNAの分解を最小限にすべく採取後液体窒素にて瞬時に凍結せしめた。ISOgen (ニッポンジーン社製)を用いてRNAを抽出後、Luo, L. 等の方法 (Nat. Med. (1999) 5 : 117-122)に従ってcRNA合成を行った。アローブ合成はHughes, TR等の方法 (Nat. Biotechnol. (2001) 19 : 342-347)に従って2ugのcRNAを鋳型として行った。レファレンスサンプリはCY3にてテストサンプリはCY5にて蛍光標識した。ハイブリダイゼーションとその後の洗浄はHeide, P. 等の方法 (前出)に従った。ハイブリダイズしたシグナルの測定と定量はScannatray 4000 スキャナーとQuantatray (何れもPackard Bioscience社製)を用いて行った。

【0101】

【実施例3】 データ解析

全てのcRNAサンプリはduplicateにて蛍光標識を行った。標識後のアローブを7685個のDNAスポットがduplicateで貼り付けてあるスライドにハイブリダイズさせる事により、個々の遺伝子について4回の独立した測定を行った。スポットした7685 element中252はcontrolとして加えたもの (Luciferase、Aliu等)で残る7433のうち6384は5622個のUniGeneク
 ラスターに相当し、1049はUniGeneクラスターに一致しない事から全体で8671個のユニークな遺伝子がスポットされている事になる。さらに初期の検討結果から、このうち285は全ての臨床検体・細胞株を含めた異なる検体間で同様な発現パターンを示した事から以後の解析から除外した。この初期フィルタリングの結果、6386のユニークな遺伝子が以下の解析の対象として残った (図1)。1回のアレイ実験内でのデータの標準化はlowess normalization法 (Nucleic Acid Res. (2002), 30 : e15) に準拠し、標準化されたシグナル強度をレファレンスサンプリのシグナル強度で割る事により値を得た後に、Tsen等のアロ
 グラム (Nucleic Acid Res. (2001), 29 : 2549-2557)を用いてCV値が98%信頼区間から外れるデータをoutlierとして以後の解析から除外した。得られたデータセットはGeneSpring (Silicon Gene
 Genetics社製)を用いてクラスター解析、視覚化を行った (図2)。腫瘍臨床検体と細胞株のデータの直接比較をした場合に異なる病型に関わらず臨床検体に共通して高い発現を示す遺伝子、逆に細胞株に共通して高い発現を示す遺伝子が認められた。これらの遺伝子を選別する目的でBinary Search Algorithmを新たに考えた。すなわち、個々の遺伝子について全てのサンプリでのシグナルの平均値を求めこれより高い値を示すものに"1"、低い値を示すものに"0"の値を与える事により個々のサンプリのアロファイルをBinary Stringsとして表現した。これをideal state (臨床検体で全て"1" / 細胞株で全て"0"あるいはその逆)のStringと比較して66%以上のサンプリで"1"の場合、"overexpressed"、66%以上のサンプリで"0"の場合、"underexpressed"とした。この処理により6386のユニークな遺伝子中2218が臨床検体で細胞株と比較して発現が高い (1318) あるいは低い (906) ものとして選別された (図3)。さらにこれら2218遺伝子のクラスタリングの結果を目で見て確認した結果、299の遺伝子は臨床検体と細胞株間で際立った発現の差を認めなかった事から残る1919を以下の検討からは除去する事とした (図4)。全てのフィルタリングの結果最終的に4240の遺伝子が解析の対象として残った。Hierarchical clusteringの結果 (図5、図6)、90の検体 (肺癌臨床検体43、正常肺臨床検体6、肺癌細胞株38、正常胎児纖維芽細胞株3) は4つの大きなbranchに分かれた (表3)。

【0102】

10

20

30

40

50

【表 3】

	Branch1	Branch2	Branch3	Branch4	Branch5	Total	
SCLC(Cell Line)	11		2			13	
SCLC(Fresh)	9					9	
Carcinoid	3					3	
SCC(Cell Line)	1	4	3			8	10
SCC(Fresh)	1	5		2		8	
NSLC(Cell Line)*		1	3		2	6	
Normal Fibroblasts			3			3	
AC(Cell Line)	4	5	2			11	
AC(Fresh)				17		17	
LCC(Fresh)	1			5		6	
Normal(Fresh)				6		6	20
Total	30	15	13	30	2	90	

SCLCは小細胞性肺癌、SCCは 平上皮癌、NSCLCは非小細胞性肺癌、ACは腺癌、LCCは大細胞性癌を示す。また、*は、非小細胞性肺癌由来細胞株（病型分類不明）を示す。

【0103】

Branch 1は殆ど全ての小細胞性肺癌由来細胞株と全ての小細胞性肺癌とカルチノイドの臨床検体を含む。Branch 2には 平上皮癌の臨床検体と細胞株が多く含まれ、Branch 3は細胞株のbranchで胎児由来正常繊維芽細胞株は全てこのbranchに含まれる。Branch 4には全ての腺癌、大細胞癌と正常肺の臨床検体が含まれる。2株の非小細胞性肺癌由来細胞株（病型分類不明）は上記4つのbranchからは独立したbranchを形成している。Binary Search Algorithmを適用して、細胞株全般に固有の遺伝子発現プロファイルおよび臨床検体全般に固有の遺伝子発現プロファイルを除去する事により、それまで困難であった臨床検体と細胞株を直接比較する事が可能となった。特に小細胞性肺癌由来細胞株の大部分（11/13）と 平上皮癌由来細胞株の一部（4/8）は夫々の細胞株が由来する病型の臨床検体クラスターに帰属された事からこれらの細胞株はもとの腫瘍の形質をよく保持していると考えられた。腺癌については今回実施したフィルタリング・クラスタリングでは正常肺組織との分離が不十分でかつ腺癌由来細胞株の帰属は得られなかった（0/11）。この理由として、腺癌臨床検体が異なる分化度の症例からなっており、正常肺組織の混入度が高い為正常肺組織とのクラスター分離が不十分であったと考えられる一方、腺癌由来細胞株は由来する癌組織中の最も未分化な細胞が株化の過程で選択された事によると考えられた。

【0104】

以下に、各種病型肺癌で病型特異的に発現変化を示す遺伝子一覧を示す。

(1) 正常肺組織で高発現していて癌化で低下するもの（表4）

【表4】

Accession	gene name
H69581	mannosidase, alpha, class 2A, member 1 (MAN2A1)
AA699782	transcription factor 21 (TCF21),
AA489331	adenosine deaminase, RNA-specific, B1, ADAR2 RNA editing enzyme 1
R76553	matrix metalloprotease (ADAMTS1)
N54265	oxysterol binding protein 2 (OSBP2)
N93476	endothelial differentiation, sphingolipid G-protein-coupled receptor, 1 (EDG1)
N92901	fatty acid binding protein 4, adipocyte (FABP4)
AA455925	four and a half LIM domains 1 (FHL1),
R07167	cystathionine gamma-lyase
R66006	acyl-Coenzyme A dehydrogenase, long chain (ACADL),
AA995128	VEGF-D
W74536	receptor for Advanced Glycation End Product, secreted isoform (RAGEsec gene)
H73241	vasoactive intestinal peptide receptor 1 (VIPR1),
H29521	ATP-binding cassette, sub-family A (ABC1), member 3 (ABCA3),
H02848	TEK tyrosine kinase, endothelial
N29914	endothelin receptor type B (EDNRB),
AA872006	titin (TTN),

10

20

【 0 1 0 5 】

(2) 小細胞性肺癌で高発現を示すもの (表 5)

【 表 5 】

Accession	gene name
H19129	fibroblast growth factor 12
AA425089	clock homolog (mouse) (CLOCK),
AA029415	hypothetical protein XP_168115
N21514	EST
R43380	signal recognition particle 9kD,
AA775355	Ku autoantigen, 80kD (XRCC5)
R40897	3-oxoacid CoA transferase,
H22944	nicotinamide nucleotide transhydrogenase
H04986	delta-catenin
R45102	reelin (RELN),
AA679150	BTB (POZ) domain containing 3 (BTBD3),
A1040942	similar to CEA-related cell adhesion molecule 6 precursor (LOC209089),
A1271880	PDZ domain protein (Drosophila InaD-like) (INADL),
AA773983	neuroendocrine-specific protein C (NSP)
AA455840	DnaJ (Hsp40) homolog, subfamily C, member 6 (DNAJC6),
AA447618	internexin neuronal intermediate filament protein, alpha (INA),
R38840	insulinoma-associated 1 (INSM1),
N66104	kinesin family member 5C (KIF5C),
AA018683	ISL1 transcription factor, LIM/homeodomain, (islet-1) (ISL1),
AA454702	cellular retinoic acid binding protein 1 (CRABP1),
AA431475	EST similar to tomoregulin (mm)
N91887	EST similar to thymosin, beta, identified in neuroblastoma cells
AA425008	cerebellin 1 precursor (CBLN1),
AA009677	EST
R28004	single stranded DNA binding protein-3 (SSDP3);(LOC245744) ?,
H05489	deoxycytidine kinase (DCK),
AA480251	NADH dehydrogenase (ubiquinone) 1, subcomplex unknown, 1 (NDUFC1),
AA488297	kinesin heavy chain 2
AA456608	MCM3 minichromosome maintenance deficient 3; (HCC5)
AA430744	enhancer of zeste homolog 2 (Drosophila) (EZH2),
W74071	MCM4 minichromosome maintenance deficient 4
N62245	Cdc7-related kinase, (CDC7L1)
H15112	uracil-DNA glycosylase,
D51276	similar to stathmin 1/oncoprotein 18 (STMN1),
H93087	high-mobility group (nonhistone chromosomal) protein 17,
H08595	KIAA0923 protein (KIAA0923),
AA012939	clone 23801
AA625653	KIAA0419 gene product (KIAA0419),
W80489	acylphosphatase 1, erythrocyte (common) type (ACYP1),
R20639	CRMP5: collapsin response mediator protein-5;
H10342	sulfotransferase family 4A, member 1,
R52641	EST
AA227982	lens epithelium-derived growth factor
AA436409	TAR (HIV) RNA binding protein 2 (TARBP2),

10

20

30

40

【 0 1 0 8 】

(3) 平上皮癌で高発現を示すもの (表 6)

【 表 6 】

Accession	gene name
AA497051	sialyltransferase (STHM),
T57321	protein tyrosine phosphatase, non-receptor type 1 (PTPN1),
AA425299	solute carrier family 9 (sodium/hydrogen exchanger), isoform 3 regulatory factor 1
AA668703	eukaryotic translation initiation factor 3, subunit 4 (delta, 44kD) (EIF3S4),
AA071526	protein phosphatase 1, regulatory subunit 10 (PPP1R10),
N90246	EphA1 (EPHA1),
D14520	GC-Box binding protein BTEB2, Kruppel-like factor-5
AA878048	keratin 15 (KRT15),
AA160507	keratin 5 (KRT5),
H44785	bullous pemphigoid antigen 1 (230/240kD) (BPAG1),
M19888	small proline-rich protein
N51865	EST
AA026418	keratin 6 isoform K6b (KRT6B)
R35079	vesicle-associated membrane protein 2 (synaptobrevin 2) (VAMP2)
AA936757	heparin-binding growth factor binding protein (HBP17),
H44051	keratin 14 (epidermolysis bullosa simplex, Dowling-Meara, Koebner) (KRT14)
Z19574	cytokeratin 17
D78367	keratin 12 (Meesmann corneal dystrophy) (KRT12),
AI369125	DiGeorge syndrome critical region gene DGS1
H85454	potassium voltage-gated channel, delayed-rectifier, subfamily S, (KCNS1)
AA598507	collagen, type VII, alpha 1 (COL7A1),
K03195	solute carrier family 2, Glucose Transporter 1; GLUT; GLUT1
R85840	nuclear pore complex interacting protein (LOC220555),
AA461522	Ah receptor (Aryl hydrocarbon receptor) (AhR)
W23757	keratin 13
AA135152	glutathione peroxidase 2 (gastrointestinal)
AA055486	ataxia-telangiectasia group D-associated protein
AA125872	angiopoietin 2 (ANGPT2),
AA045436	v-maf musculoaponeurotic fibrosarcoma oncogene homolog G (MAFG),
AA683172	RaP2 interacting protein 8 (RPIP8)
AA280846	carbonyl reductase 1,
R63065	glutathione S-transferase M3 (brain) (GSTM3),
H56069	gamma-glutamylcysteine synthetase (GLCLC)
AA027840	RIT protein
AA777289	glutathione reductase (GSR),
AA488889	EST
AA625956	calcium-binding tyrosine-phosphorylation regulated (fibrousheathin 2) (CABYR),
H28984	phosphatidylserine synthase 1,
AA598759	phosphogluconate dehydrogenase (PGD),
AA488373	phosphoglucomutase 1 (PGM1),
T62075	prothrombin
AA424804	ATP-dependent transport protein, multidrug resistance associated protein-1
W49672	wingless-type MMTV integration site family, member 5A (WNT5A),
AA457097	v-akt murine thymoma viral oncogene homolog 2 (AKT2),
T98002	cytochrome P450 isoform 4F12 (CYP4F12),
AA290738	glutathione S-transferase M1 (GSTM1),

10

20

30

40

【 0 1 0 7 】

(4) カルチノイドで高発現を示すもの (表7)

【 表 7 】

Accession	gene name
R15785	putative L-type neutral amino acid transporter (KIAA0436)
AA455043	holocarboxylase synthetase (HLCS)
AI359985	angiotensinogen (AGT) gene, exon 5
N58107	vitronectin precursor, serum spreading factor,
R38198	quinoid dihydropteridine reductase (QDPR)
AA421284	synaptosomal-associated protein, 91 kD homolog
AA682631	Calcineurin subunit A alpha, protein phosphatase 3
AI264190	regulator of G-protein signalling 20 (RGS20)
AA708886	guanine nucleotide binding protein (G protein), beta 5 (GNB5)
N66008	Putative prostate cancer tumor suppressor, hypoxia-regulated factor-2 (HRF2)

10

【0108】

(5) 肺癌および正常肺組織で高発現を示すもの(表8)

【表8】

Accession	gene name
T65736	selenium binding protein 1 (SELENBP1),
AA844818	amylase, alpha 2A
H94471	occludin
N74161	ATPase, Class VI, type 11A (ATP11A),
N59219	EST
T73468	glutathione S-transferase A2
AA058357	carcinoembryonic antigen-related cell adhesion molecule 7
M29540	carcinoembryonic antigen-related cell adhesion molecule 5 (CEACAM5),
AA130584	carcinoembryonic antigen-related cell adhesion molecule 5 (CEACAM5),
T60168	thyroid transcription factor 1
AA600173	ubiquitin-conjugating enzyme E2A (RAD6 homolog) (UBE2A),
AA598814	ATPase, Na ⁺ /K ⁺ transporting, beta 1 polypeptide (ATP1B1),

20

30

【0109】

上記フィルタリング法により、細胞株あるいは臨床検体に共通して発現している遺伝子を解析から除外する事により病型特異的な遺伝子発現プロファイルを得る事ができた。病型特異的に高発現している遺伝子の中には全ての細胞に共通した基本的経路の構成成分は殆ど含まれていない事から、フィルタリングが予想通りの効果を発揮したものと考えられた。

【0110】

【実施例4】 抗癌剤のターゲット分子の探索

これらの病型特異的な遺伝子には既知の病型特異的なマーカー(小細胞性肺癌の *neuroendocrine* マーカーや 平上皮癌のケラチン等)が数多く含まれており、これらを除いた残りの遺伝子から新規医薬品開発のためのターゲット(例えば抗体療法のターゲット)としての可能性が根拠されるものを検索した。その結果 平上皮肺癌に特異的に発現上昇しているものとして、W49872 (*wingless-type MMTV integration site family, member 5A* (WNT5A)) が選別された。WNT5AはWNTファミリーに属する分泌蛋白で *Frizzled5* を受容体として作用を発揮する。*Frizzled* 受容体は7回膜貫通型受容体でN末端に位置する *Ectodomain* に対応するWNT蛋白が結合する事により細胞質蛋白である *Diskless* および *GSK3/APC/Axin* を介して β カテニンを安定化する。安定化された β カテニンは核に移行してTCFと複合体を形成し、種々の細胞

40

50

増殖やアポトーシスに関連する遺伝子発現を活性化することにより癌、骨代謝、造血幹細胞の増殖分化を含む種々の生物学的現象に関与している事が知られている (canonical Pathway: Science, 2002, May 31: 298: 1844-48)。上記 canonical Pathway はショウジョウバエの Wingless 変異の研究から明らかになったものであるが、これ以外に non-canonical Pathway として細胞骨格系を介した endoderm から mesoderm の生成あるいは PKC を介した経路等が報告されている。また、最近 Friesled の C 端領域を介した JNK の活性化・アポトーシスが報告されており Wnt5A はこのプロセスを抑制するとされている (Curr Biol 2002 Jan 8: 12 (1): 53-8)。以上の事から異なる組み合わせの Wnt/Friesled が異なる組織で発現して異なる経路を利用して機能を発揮すると考えられる。Wnt5A の発現はヒトでは新生児の心臓と肺にのみ認められ、3' 非翻訳領域に存在する AU に富んだ mRNA 不安定化配列によるものと考えられている (Genomics 1998 Nov: 18 (2): 249-60)。

【0111】

興味深い事に Wnt5A と Friesled5 の過剰発現が慢性関節リウマチ (RA) の滑膜細胞において報告されており、この過剰発現の結果 PKC の活性化を経て炎症性サイトカインである IL6、IL8 および IL15 の過剰発現が滑膜細胞を体外に取り出して数世代継代培養を繰り返した後にも観察される事が報告されている (Arthritis Rheum 2001 Apr: 44 (4): 772-81, PNAS 2000 Mar 14: 97 (6): 2791-98)。この論文においては滑膜細胞での Wnt5A と Friesled5 の発現が autocrine によるのか Paracrine の結果であるのかは明らかには言及されていない。Wnt5A の滑膜細胞での持続的過剰発現の機序については不明であるが RA が複数の関節に同時に発生し、かつ滑膜腫の発生頻度が低い事から遺伝子レベルでの変異の可能性は否定されている。Wnt5A が胎生期における胚間充織の発達あるいは造血幹細胞の増殖分化に影響を与える事は知られているが、上皮性細胞での機能については殆ど知られていない。最近胃癌の臨床検体で Wnt5A の発現過剰が報告されている (Int J Mol Med 2002 May: 9 (5): 515-9)、この発現過剰は胃癌細胞を培養株化する事により著しく低下する事から癌細胞とストローマ細胞の相互作用の結果とされている。

【0112】

本発明者が見出した 平上皮肺癌における Wnt5A の過剰発現が臨床検体ばかりでなく 平上皮肺癌由来の細胞株においても認められる事から、恐らくこれらの癌細胞自身が産生した Wnt5A が恒常的に発現している Friesled5 に autocrine 的に作用して腫化に至ったものと考えられる。RA の滑膜細胞でも同じ組み合わせのリガンドと受容体の過剰発現があるにもかかわらずこれらの細胞が腫化しない理由の詳細については不明であるが、恐らく 平上皮肺癌では Wnt5A と Friesled5 の autocrine 機序により効率よく canonical Pathway が活性化されて腫化に至っているのに対して、滑膜細胞の場合には non-canonical Pathway の活性化のみが起こり、炎症性サイトカインの過剰発現を経て RA の発症に至るが腫化には至らないものと推測される。Friesled5 の発現が成体において広範に認められるのに対して Wnt5A の発現は局限されておりその mRNA の不安定性から蛋白質の正常成人での体内レベルは極めて低く局所で作用している因子であると考えられる。従って Wnt5A を抗原とした中和抗体は 平上皮肺癌の治療に有効に利用可能と考えられる。

【0113】

【発明の効果】

本発明によって、Wnt5A を過剰発現した癌を治療可能な抗癌剤が提供できるものと期待される。特に、抗 Wnt5A 抗体または抗 Friesled5 抗体を有効成分として含有する薬剤は、有効な抗癌剤になりうるものと期待される。

【図面の簡単な説明】

【図1】6388の遺伝子の2次元階層的クラスター化の樹状図を示す写真である。タイプに応じて着色された標本が、左側に示され、赤はAC、緑はSCC、紫は正常、青はSCLC、黒はLCC；オレンジ色はカルチノイド、茶色は線維芽細胞、ピンクはNSLCを表わしている。各欄は、特定の遺伝子を表わす。正方形は、4つの複製にわたる対数平均発現比率に従って着色されている。基準標本との関係において、赤は1より大きい発現比率（過剰発現）、緑は1未満（過小発現）、黒はほぼ1に等しい比率（発現変化無し）を表わしている。

【図2】本文中に記述されているように統計的にろ過することによって得られた細胞系統中の5255の遺伝子の2次元階層的クラスター化の樹状図を示す写真である。タイプに応じて着色された標本が左側に示され、赤はAC、緑はSCC、青はSCLC、茶色は線維芽細胞、ピンクはNSLCを表わしている。各欄は、特定の遺伝子を表わす。正方形は4つの複製にわたる対数平均発現比率に従って着色されている。基準標本との関係において、赤は1より大きい発現比率（過剰発現）、緑は1未満（過小発現）、黒はほぼ1に等しい比率（発現変化無し）を表わしている。

【図3】腫及び細胞系統の間で示差的に調節された遺伝子の同定を示す図および写真である。(A)新鮮な標本に比べ細胞系統標本内で一般に過剰発現された905の遺伝子及び(B)新鮮な標本に比べて細胞系統標本中で一般に過小発現された1818の遺伝子についての全ての標本にわたる発現変化。(C)新鮮な標本と細胞系統標本の間で示差的に調節されている1919の遺伝子の2次元階層的クラスター化。左側の樹状図は、細胞系統標本と新鮮な標本のクラスター化を示す。分岐色は、図1に示されたとおりである。上部樹状図は、遺伝子のクラスター化を示している。

【図4】新鮮な標本と細胞系統標本の間で示差的に調節されるBinary Search Alogorithmによって選択された2218の遺伝子の2次元階層的クラスター化の樹状図を示す写真である。左側の樹状図は、細胞系統標本と新鮮な標本のクラスター化を示す。上部樹状図は、遺伝子のクラスター化を示す。新鮮な標本中でアップレギュレートされた遺伝子は右に向かってクラスター化している状態を示され、細胞系統標本中でアップレギュレートされた遺伝子は、左に向かってクラスター化している状態を示されている。主要データセットに内含させるのに、新鮮な標本と細胞系統標本の間で著しい対比を示さない遺伝子分岐（合計299）が選定された。

【図5】新鮮な標本又は細胞系統標本内の一般的に調節された遺伝子についてろ過した後の4240の遺伝子の削減されたデータセットの樹状図を示す写真である。標本は、図1の場合と同様に着色されている。左側に示されたグループは、特定の癌腫タイプの全く異なるクラスターを表わす。cl:細胞系統標本; fr:新鮮な腫 標本。

【図6】全く異なる発現パターンを示す、図5からの8つの選択された遺伝子クラスターの全ての標本にわたる発現プロフィールを示す写真である。図5からの樹状図及び強調されたクラスターは、参考として底部に沿って及び個々の遺伝子クラスターの間に示されている。(A)カルチノイド内でアップレギュレートされた遺伝子。(B)正常組織内でアップレギュレートされた遺伝子。(C)AC及びLCC内でアップレギュレートされた遺伝子。(D~E)SCC内でアップレギュレートされた遺伝子。(F~H)SCLC内でアップレギュレートされた遺伝子。

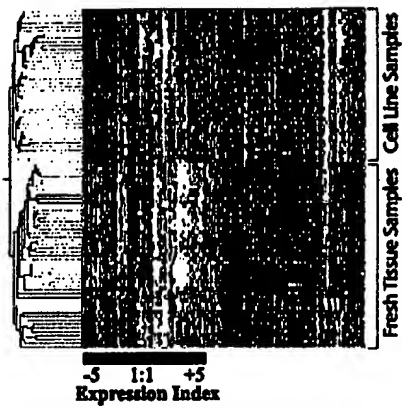
10

20

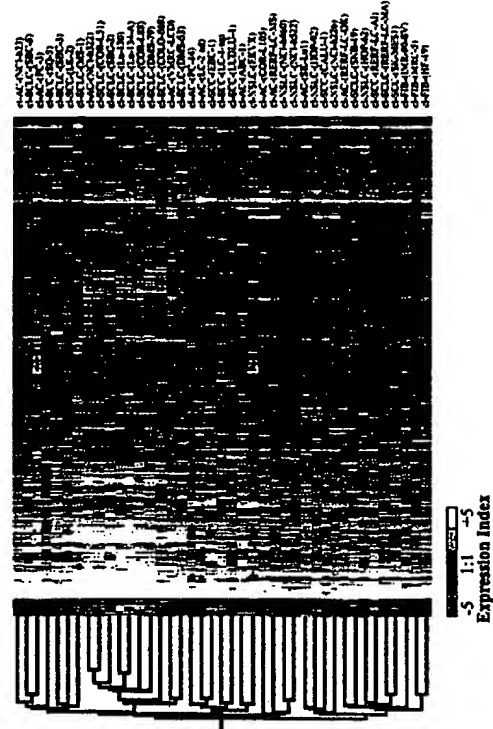
30

40

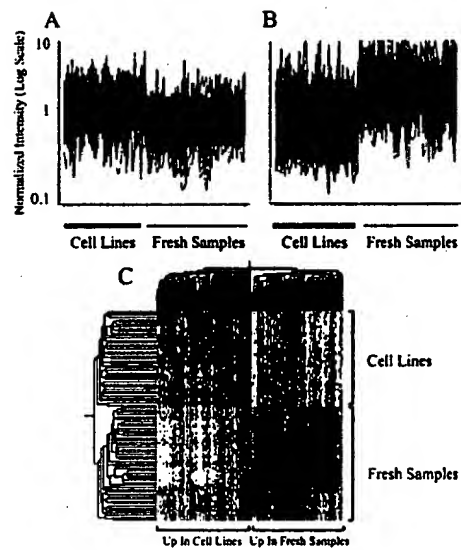
【 図 1 】



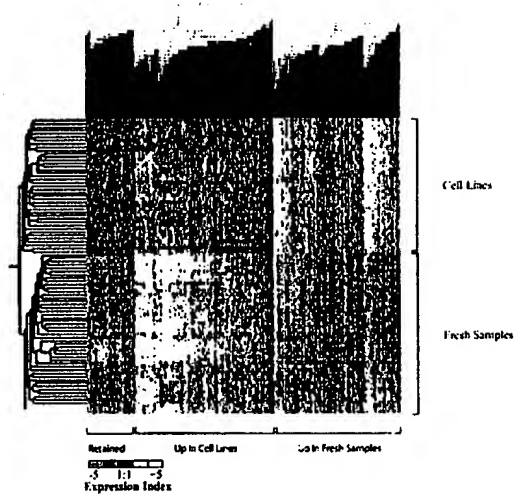
【 図 2 】



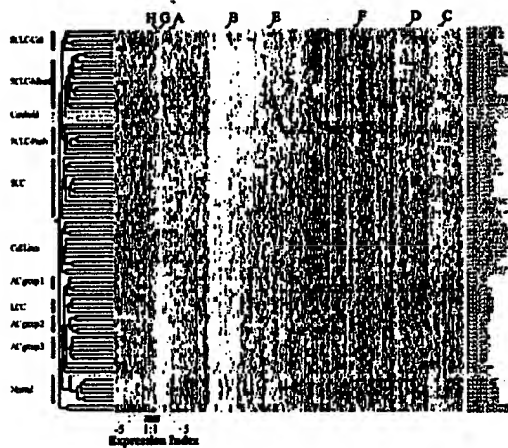
【 図 3 】



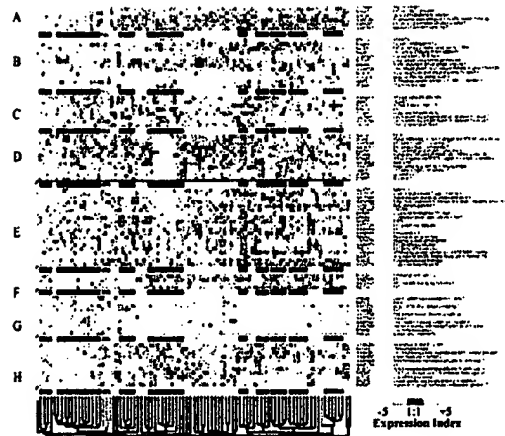
【 図 4 】



【図5】



【図6】



【手続補正書】

【提出日】平成14年9月26日(2002.9.26)

【手続補正1】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0100

【補正方法】変更

【補正の内容】

【0100】

臨床検体は(財)癌研究会にて患者の informed consent および倫理委員会の承認のもとで外科的摘除時に採取したものである。レファレンスサンプルとしては可能な限り多くの遺伝子について情報を得られる事を考慮して、20%の正常肺組織にNCI-H226、NCI-H522、EKVX、NCI-H460、Lu-134A、MRC5、8Q5、H23、PC14、M81の10種の細胞株を夫々8%ずつ加えたものを用いた。全ての細胞株はRNA later (Ambion社製)を用いて細胞浮遊液とした。臨床検体はRNAの分解を最小限にすべく採取後液体窒素にて瞬時に凍結せしめた。IsoGen (ニッポンジーン社製)を用いてRNAを抽出後、Luco, L.等の方法(Nat. Med. (1999) 5: 117-122)に従ってcRNA合成を行った。アプローブ合成はHughes, TR等の方法(Nat. Biotechnol. (2001) 19: 342-347)に従って2ugのcRNAを鋳型として行った。レファレンスサンプルはC78にてテストサンプルはC75にて蛍光標識した。ハイブリダイゼーションとその後の洗浄はHeide, P.等の方法(前出)に従った。ハイブリダイズしたシグナルの測定と定量はScannarray 4000スキャナーとQuantarray (何れもPackard Bioscience社製)を用いて行った。

フロントページの続き

(51)Int. Cl. 7

F I

テーマコード (参考)

C 1 2 Q 1/02	A 6 1 P 43/00	1 1 1
C 1 2 Q 1/68	A 6 1 P 43/00	1 2 1
G 0 1 N 33/15	C 1 2 Q 1/02	
G 0 1 N 33/50	C 1 2 Q 1/68	A
	G 0 1 N 33/15	Σ
	G 0 1 N 33/50	Σ
	C 1 2 N 15/00	A

(72)発明者 マイケル エイチ ジョーンズ

東京都豊島区高田 3-41-8 高田研究所内

(72)発明者 野村 仁

東京都豊島区高田 3-41-8 高田研究所内

(72)発明者 石川 雄一

東京都小金井市東町 2-28-14

(72)発明者 中川 健

東京都小平市花小金井 5-89-17

Fターム(参考) 2G045 AA40 BB03 BB20 CB02 DA12 DA13 DA14 DA36 DA78 FB02

FB03 JA01

4B024 AA11 BA63 BA80 DA02 DA12 EA04 FA02 FA10 HA12

4B063 QA01 QA05 QA18 QQ07 QQ08 QQ13 QQ33 QQ43 QQ53 QR55

QR77 QR80 QS34 QS36

4C084 AA17 NA14 XB261 XC202 XC751

4C085 AA13 AA14 AA16 BB01 CC02 CC03 CC21 DD21 DD62 EE01